

*S-6 (2) OBESIDAD Y NUTRICIÓN.  
LIBERACIÓN ENDÓCRINA DEL TEJIDO ADIPOSO  
ABDOMINAL, POSIBLE RESPONSABLE DEL  
SÍNDROME METABÓLICO.*

LN Diana Marquinez Tress, Facultad de Nutrición, Campus Veracruz,  
Universidad Veracruzana. Carmen Serdán s/n, esquina Mina.

El tejido adiposo se consideraba clásicamente un órgano pasivo, almacenador de energía. En 1987 se identificó como sitio de producción de esteroides sexuales y adiposina, desde entonces se han identificado otras sustancias biológicamente activas, producidas en el tejido adiposo conocidas como adipocinas o adipocitocinas. Además, el adipocito presenta un gran número de receptores hormonales en sus membranas nuclear y citoplasmática, lo que sitúa al tejido adiposo como un órgano endocrino con participación activa en la regulación metabólica. Las alteraciones funcionales del tejido adiposo, tanto la obesidad, como la lipoatrofia y la lipodistrofia, se relacionan con el síndrome metabólico.

Las principales moléculas identificadas como posibles responsables del síndrome metabólico son: Leptina, factor de necrosis tumoral- $\alpha$  (TNF- $\alpha$ ), interleucina 6 (IL-6), inhibidor del activador plasminógeno (PAI-1), factor tisular, angiotensinógeno, adiposina, proteína acilación estimulación (ASP), adipoquina, adipoQ/ap M1/ adiponectina / Acrp, prostaglandinas  $I_2$  y  $F_{2a}$  (PGI<sub>2</sub> PGF<sub>2a</sub>) y Factor transformador con funciones que se relacionan a la resistencia a la insulina (TGF $\beta$ ), dislipidemia (hipercolesterolemia, hipertrigliceridemia), hiperglicemia, así como con la regulación de la presión sanguínea, de la coagulación, de la inflamación, entre otras.

Los mecanismos exactos por los que se produce el aumento en la expresión local de TNF- $\alpha$  no se han descrito con exactitud y representan el pilar de la hipótesis actual por la que se explica el síndrome metabólico. Es necesario delimitar si varios de los elementos descritos en esta revisión son causa o consecuencia del síndrome metabólico. En el futuro, la descripción de nuevas hormonas y las mejoras en los equipos biotecnológicos, seguramente permitirán una explicación más a fondo de los mecanismos expuestos.