

Marcadores bioquímicos, fisiológicos y celulares asociados con lesión pulmonar aguda (LPA/SDRA)

Francisco Hernández Gómez-Crespo,*[‡] Raúl Barrera-Rodríguez,* ✉ Jorge Chavarría-Garcés*

*Instituto Nacional de Enfermedades Respiratorias Ismael Cosío Villegas, Ciudad de México; [‡]Facultad de Medicina, Universidad Westhill.

Trabajo recibido: 21-I-2015; aceptado: 13-II-2015

RESUMEN. El síndrome de dificultad respiratoria aguda (SDRA) es secundario a una lesión pulmonar o extrapulmonar aguda, que conduce al daño de la membrana alveolocapilar pulmonar con aumento de la permeabilidad. La descripción clínica del síndrome se ha abordado en varias revisiones; sin embargo, aún es difícil predecir el comportamiento clínico que seguirán algunos pacientes, ya que mientras unos se agravan rápidamente otros logran su mejoría. El conocimiento de los aspectos moleculares que regulan los procesos fisiológicos serán abordados en esta revisión, con la finalidad de identificar posibles marcadores genéticos de valor predictivo que permitan identificar a aquellos pacientes que podrían ser más susceptibles a desarrollar SDRA, o bien al grupo de pacientes con mayor probabilidad de tener una mejor respuesta a un tratamiento determinado, así como el pronóstico de los pacientes individuales.

Palabras clave: Lesión pulmonar aguda, síndrome de dificultad respiratoria aguda, biomarcadores, tratamiento.

ABSTRACT. ARDS is a clinical syndrome secondary to acute lung injury, which leads to damage of the alveolar pulmonary capillary membrane, with increased permeability. The clinical description of the syndrome has been discussed in several reviews; however, it's still difficult to predict the clinical behavior that patients will have, some of them decay rapidly while others quickly achieve their improvement. Knowledge of the molecular aspects that regulate physiological processes will be discussed in this review, in order to identify possible genetic markers, predictive value to identify patients who may be more susceptible to develop ARDS, or a patient group more likely to have a better response to a particular treatment and the prognosis of individual patients.

Key words: Acute lung injury, respiratory distress syndrome, biomarkers, treatment outcome.

Abreviaturas:

UCI: Unidades de Cuidados Intensivos.

LBA: Lavado bronquioalveolar.

LPA: Lesión pulmonar aguda.

SDRA: Síndrome de Dificultad Respiratoria Aguda.

INTRODUCCIÓN

El síndrome de dificultad respiratoria aguda (SDRA), es el término utilizado para designar varias formas agudas o subagudas de lesión pulmonar difusa que causan hipoxemia severa. Estas lesiones se asocian a una gran variedad de factores precipitantes y no dependen de ningún tipo de insuficiencia cardiocirculatoria concomitante, por lo que se manifiesta sin incremento de las presiones en los capilares pulmonares. El SDRA es un síndrome clínico común y devastador asociado a la lesión pulmonar aguda (LPA) que se presenta como complicación por agresiones pulmonares tanto

directas (*i.e.* neumonía) como indirectas (*i.e.*, sepsis), y con frecuencia exige internación en las unidades de cuidados intensivos (UCI).¹

Los factores que predicen la aparición o la gravedad del SDRA están pobremente definidos. Sin embargo, la incidencia relativamente baja de SDRA en el grupo relativamente grande de pacientes con riesgo, sugiere que los factores genéticos deben contribuir a la progresión del síndrome.

El propósito de esta revisión es describir el estado actual de las moléculas que tienen una participación importante en la predisposición o desarrollo del SDRA y su utilidad como biomarcadores pronósticos.

EPIDEMIOLOGÍA

Los estudios epidemiológicos de SDRA son difíciles de encontrar debido a dos factores. En primer lugar, los problemas con la fiabilidad de los diagnósticos y

las inexactitudes de codificación administrativa hacen que los estudios de epidemiología basados en población sean costosos y difíciles, porque es necesario un control cuidadoso de calidad y validación prospectiva de las cohortes. En segundo lugar, dado que la LPA es una enfermedad grave y requiere gasometría arterial y radiografías de tórax para el diagnóstico, y a que los pacientes son atendidos en la UCI, la epidemiología del síndrome está indisolublemente ligada a los servicios de salud.

No obstante, algunos estudios epidemiológicos muestran una variabilidad considerable en la incidencia de SDRA, p. ej., en Estados Unidos se registra una incidencia de 78.9 por cada 150,000 habitantes, mientras que en los países escandinavos es de 13.5, en Escocia de 16, en Australia 28, en Brasil (Vitoria) 64.2 con una mortalidad del 30 al 40% en esta última.^{2,3} Estos números hacen hincapié en la necesidad no sólo de obtener un método de diagnóstico precoz, sino también de poder identificar factores pronósticos de gravedad, y a partir de estos resultados tener la posibilidad de tomar mejores decisiones terapéuticas.

DEFINICIÓN DEL SDRA

La conferencia de Consenso Americano-Europea define la LPA y a su forma más grave, el SDRA como «un síndrome de inflamación y aumento de la permeabilidad que se asocia con una constelación de anomalías clínicas, radiológicas y fisiológicas que no pueden ser explicadas, pero pueden coexistir sin disfunción de la aurícula izquierda o hipertensión pulmonar». Debido a los problemas de fiabilidad y validez, la definición fue actualizada en el año 2012 por la Sociedad Europea de Medicina Intensiva. La nueva definición separa el SDRA en tres categorías basadas en la relación entre la presión parcial de oxígeno arterial (PaO_2) a la fracción de oxígeno inspirado (FiO_2). Las tres categorías son: leve ($200 \text{ mmHg} < \text{PaO}_2/\text{FiO}_2 \leq 300 \text{ mmHg}$); moderada ($100 \text{ mmHg} < \text{PaO}_2/\text{FiO}_2 \leq 200 \text{ mmHg}$) y grave ($\text{PaO}_2/\text{FiO}_2 \leq 100 \text{ mmHg}$).⁴ Esta nueva definición ha demostrado ser un mejor indicador para predecir la aparición de SDRA, como se ha demostrado con el análisis de área bajo la curva para la característica operativa del receptor (ROC) de 0.577% en comparación con la anterior definición, donde había un ROC de 0.536%.^{4,5} Aunque ninguna de las dos definiciones resulta buena en predecir la mortalidad de estos pacientes.

PATOLOGÍA

La patología que conduce a LPA/SDRA no se comprende bien, sobre todo por la heterogeneidad de las

condiciones provocadas por la misma. Los estudios de autopsia muestran que hay una serie de características patológicas pulmonares comunes, como el compromiso de la barrera alveolocapilar, lo que lleva a la formación del edema en el intersticio, así como en el espacio alveolar.⁶

La patología del SDRA puede progresar a través de tres etapas superpuestas: a) fase inflamatoria o exudativa (1-7 días), b) proliferativa (7-21 días), c) fibrótica (> 21 días). La fase exudativa corresponde a la etapa inflamatoria aguda de SDRA y se caracteriza por la liberación de citocinas proinflamatorias, afluencia de neutrófilos. Uno de los sitios primarios afectados dentro de un proceso inflamatorio es la membrana alveolocapilar, que consta de un endotelio capilar, la membrana basal capilar, una membrana basal epitelial y un epitelio alveolar. Los neumocitos tipo I forman 90% de la capa epitelial alveolar, pero son muy susceptibles de ser dañados, mientras que los neumocitos tipo II componen el otro 10% y son más resistentes, situación por demás muy importante dada su capacidad para producir surfactantes, transportar iones, proliferar y diferenciarse hacia neumocitos tipo I. La alteración del endotelio vascular lleva a la filtración de un líquido rico en proteínas dentro del intersticio circundante. Además, los daños causados a las uniones estrechas formados por los neumocitos tipo I en el tejido alveolar permiten al líquido proteínico permear e inundar el alvéolo. Colectivamente, los daños producidos a la capa alveolocapilar, llevan a la formación de edema pulmonar, característico de la fase temprana exudativa del SDRA.

Estos acontecimientos tempranos son seguidos por la fase proliferativa, que se desarrolla en la segunda y tercera semana (aunque puede iniciar simultáneamente con la fase exudativa y sobreponerse). Durante esta fase sigue el drenado del líquido de edema causado por la primera etapa y se caracteriza por la proliferación de los fibroblastos e hiperplasia de neumocitos tipo II que reemplazan a los tipos I; estos dos tipos de células están involucradas en la reparación de la membrana alveolocapilar. Para lograr una restauración, el tejido cicatrizal formado por los fibroblastos debe ser remodelado por los neumocitos tipo II, el edema debe de ser completamente drenado y las células y mediadores inflamatorios tienen que ser suprimidos. La excesiva deposición de colágeno por los fibroblastos, junto con el fracaso de la reparación de la arquitectura normal del alvéolo por las células tipo II, pueden dar lugar a la lesión pulmonar fibrótica permanente. Se cree que las células inflamatorias y las citoquinas juegan un papel en esta respuesta errónea.⁷ Los hallazgos histopatológicos están en relación con el tiempo de evolución del SDRA, de forma que hacia el día 35 después del

inicio del cuadro, es imposible distinguir entre la fibrosis intraluminal y la intersticial.⁸

Los pacientes con SDRA suelen recuperar la función pulmonar de tres a cuatro semanas después de actuar el elemento lesivo en los pulmones, pero inician una fase fibrótica que requiere a veces de apoyo con ventilador mecánico, oxígeno suplementario o ambas medidas por largo tiempo. Con respecto a la imagen histológica, el edema alveolar y los exudados inflamatorios de fases anteriores se transforman en fibrosis pulmonar extensa de los conductos y del plano intersticial. La arquitectura de los acinos se altera extraordinariamente. Las consecuencias funcionales incluyen un mayor peligro de neumotórax, disminución de la distensibilidad pulmonar e incremento del espacio muerto de los pulmones. Aproximadamente dos tercios de pacientes que sobrevivieron a un episodio de SDRA tienen función pulmonar anormal un año después. Se han realizado estudios en pacientes sobrevivientes nueve meses después al SDRA y se ha observado fibrosis intersticial ligera, hiperplasia epitelial e incremento de macrófagos alveolares con linfocitos intersticiales. Los hallazgos de fibrosis en la biopsia pulmonar en cualquier fase del SDRA conllevan un incremento en la mortalidad.⁶⁻⁸

MARCADORES MOLECULARES ASOCIADOS CON EL SDRA

Un hecho que llama la atención es por qué algunos pacientes con SDRA por inflamación no controlada o sepsis se agravan rápidamente, mientras que otros logran su mejoría. Algunas respuestas a estas interrogantes han tratado de ser explicadas a través del conocimiento de los eventos celulares y moleculares que regulan, tanto el proceso inflamatorio como el daño y reparación de los tejidos. En esta intrincada red de posibilidades, los polimorfismos génicos (variaciones genéticas que se manifiestan alrededor del 1% de la población) parecen en ocasiones tener alguna relación con el comportamiento clínico de la enfermedad. Recién se han escrito varios estudios genéticos que muestran cómo el perfil de expresión génica está fuertemente asociado con el tipo específico de daño pulmonar y el pronóstico del mismo.

En el SDRA existen varios candidatos asociados con la susceptibilidad, curso clínico y pronóstico. Muchos de los genes y sus productos están relacionados con la inflamación, la respuesta inmune, la permeabilidad vascular, el tono vascular, los procesos de reparación, quimiotaxis, motilidad celular y coagulación. Desde el punto de vista del médico resulta importante saber si un marcador genético puede ser un buen indicador

predictivo que permita identificar a aquellos pacientes que podrían ser más susceptibles a desarrollar SDRA, o bien al grupo de pacientes con mayor probabilidad de tener una mejor respuesta a un tratamiento determinado, así como el pronóstico de los pacientes individuales. Algunas de las respuestas a estas interrogantes han tratado de ser explicadas a través del conocimiento de los eventos celulares y moleculares que regulan, tanto el proceso inflamatorio como el daño y reparación de los tejidos.

Se han llevado a cabo muchos estudios para tratar de identificar indicadores útiles para ayudar en el diagnóstico y pronóstico. Hasta hoy, no existen estudios validados que permitan asignar un marcador pronóstico definitivo.

MOLÉCULAS DE INFLAMACIÓN

Es ampliamente aceptado que la formación de mediadores inflamatorios desempeña un papel importante en la fisiopatología del SDRA. Las moléculas que participan en este proceso son señaladas en la tabla 1. Es importante resaltar que, al presente, sólo unas pocas de ellas han sido validadas por estudios multicéntricos y no se ha podido encontrar ninguna que demuestre ser útil en la práctica clínica como biomarcador de susceptibilidad a SDRA.

PROTEÍNAS RELACIONADAS A CAMBIOS EN LA PERMEABILIDAD Y TONO VASCULAR

En el SDRA el intercambio de gases es afectado por el aumento en la dispersión de la ventilación alveolar y el gasto cardíaco debido a que ambas, tanto las funciones bronquiales como las vasculares se ven afectadas por factores relacionados con la enfermedad, tales como los efectos de los mediadores inflamatorios en las vías respiratorias y el tono del músculo liso vascular. Asimismo, las afecciones a la microcirculación pulmonar conducen la patogénesis del SDRA, porque el contenido de agua de los pulmones depende de la integridad de la barrera endotelial. Las moléculas asociadas con estos cambios se muestran en la tabla 2.

MARCADORES RELACIONADOS CON LA TENSIÓN SUPERFICIAL, QUIMIOTAXIS Y MOTILIDAD CELULAR

Las lesiones en el epitelio o endotelio alveolar dan como resultado la acumulación de edema rico en proteínas en sus espacios aéreos que inactivan el surfactante y aumentan la distancia de difusión para el intercambio de gases. El drenado del líquido desde

Tabla 1. Marcadores relacionados al proceso inflamatorio en SDRA.

Molécula	Fuente	Función	Asociación con LPA/SDRA	Ref.
TNF- α	Macrófagos células epiteliales, endoteliales y fibroblastos	Participa en la formación de edema inhibiendo su reabsorción	Como factor pronóstico ha mostrado resultados contradictorios	9,10
		Un polimorfismo en la región promotora (-308G/A) del gen ha sido también asociado con un incremento en la síntesis de TNF- α y con una mayor mortalidad en pacientes con procesos infecciosos		
TNF- β	Linfocitos activados y fibroblastos, células endoteliales, células epiteliales y astrocitos	En neutrófilos, induce la expresión de eROS y también es quimioatrayente. Incrementa la adhesión del endotelio	No se ha encontrado asociación de los polimorfismos TNF- β 1/2 con el pronóstico	10
sTNFR-I y II (CD120)	Monocitos/macrófagos y linfocitos T activas en respuesta a infecciones fúngicas	Receptores a TNF- α que disminuyen las concentraciones plasmáticas de la citocina	Fuertemente asociados con el aumento de la morbilidad y la mortalidad	11
IL-1 β	Macrófagos activados	Mediador proinflamatorio que estimula la producción de una variedad a otras citocinas, como: IL-6, IL-8, MCP-1, MIP-1 α	Es activa en las primeras etapas de la LPA. Adicionalmente induce la expresión de ICAM-1 y NOS2 mediante la activación de NF-kb para promover el reclutamiento de neutrófilos de la circulación durante LPA	12,13
		Participa en la regeneración epitelial y es un potente inductor de la fibrosis pulmonar		
IL-1RA	Miembro de la familia de la citocina IL-1 y es secretada por varios tipos de células incluyendo los adipocitos, células epiteliales y células inmunes	Inhibe la actividad de IL-1 α e IL-1 β		14
		Variante para el gen IL1RN (rs315952c)	Asociada con una reducción del riesgo y un marcado incremento en los niveles plasmáticos de IL1RA	15
IL-6	Monocitos/macrófagos, fibroblastos, células endoteliales, linfocitos T y células del estroma de la médula ósea	Potente citocina proinflamatoria con una amplia variedad de funciones, pero específicamente está involucrada en la producción de fiebre y la maduración y la diferenciación de las células B	Altos niveles de IL-6 en el LBA o plasma son de mal pronóstico	11,16,17
		Los niveles de IL-6 en plasma están influenciados por el polimorfismo -174G/C	Mayor susceptibilidad	18
IL-8 (quimiocina CXCL8)	Todos los tipos de leucocitos, así como por otros muchos tipos celulares como: fibroblastos, células endoteliales, hepatocitos, astrocitos	Desempeña un papel en la quimiotaxis	En LBA de pacientes SDRA, los niveles de IL-8 aumentan considerablemente y muestran una elevada asociación para mayor riesgo. También los niveles de IL-8 en LBA se asociaron independientemente con mayor mortalidad	17
		Variante genotípica-251A/T	Los pacientes con este alelo aumentaron la síntesis de IL-8	19

Continuación de la Tabla 1...

IL-10	Linfocitos Th2, monocitos/macrófagos, linfocitos B, queratinocitos y otros tipos celulares	<p>Posee actividad antiinflamatoria, incluida la represión de activación de los neutrófilos y disminuye la expresión de citocinas proinflamatorias, como el TNF-α, la NOS2, la apoptosis y suprime la activación de macrófagos</p> <p>Su expresión está regulada por un SNP en la región del promotor (-1082G/A)</p>	<p>Niveles elevados de IL-10 en plasma se asocian con un mal pronóstico</p> <p>El SNP -1082G/G parece estar asociado con menor riesgo de insuficiencia respiratoria aguda en pacientes traumatizados, y se asocia con menores grados de severidad, disfunción orgánica y mortalidad</p>	11,20 21
IL-13	Linfocitos Th2	<p>Inhibe producción de TNF-α, IL-1β, IL-8, aumentando al mismo tiempo la producción de IL-1RA</p> <p>Inhibe la activación del NF-κb</p> <p>Altera la expresión de las proteínas del surfactante (SP-C y SP-D)</p>	Altas concentraciones de IL-13, en plasma de pacientes con SDRA	20,22,23
CRP (proteína C reactiva)	En la fase aguda es sintetizada principalmente por el hígado	Estimulada por la liberación de citocinas, como la IL-6	No se ha determinado el valor diagnóstico diferencial	24
Procalcitonina	Molécula inflamatoria que se relaciona con la CRP	Se reconoce como parte de la respuesta inflamatoria sistémica a procesos sépticos ya que aumenta como respuesta a endotoxinas	Marcador pronóstico útil de mortalidad	25
MBL (lectina de unión a manosa)	Hígado Comparte similaridad estructural y funcional con las proteínas del surfactante pulmonar A y D	<p>Es capaz de unirse con azúcares presentes en una amplia variedad de bacterias. Y otros microorganismos promoviendo su eliminación mediante la activación del complemento y participa en la fagocitosis por opsoninas</p> <p>Cada uno de los tres SNPs reduce la cantidad de MBL de 5 a 10 veces exón 1: Codón 52 (rs5030737; Arg \rightarrow Cys, alelo D) Codón 54 (rs1800450; Gly \rightarrow Asp, alelo B)} Codón 57 (rs1800451; Gly \rightarrow Glu, alelo C) El SNP del codón -221 (rs7096202; tipo X/Y) disminuye significativa en la concentración sérica MBL</p>	<p>La presencia de polimorfismos en el gen MBL2 afecta la estructura e influencia las concentraciones séricas de MBL; y por lo tanto, se asocia con procesos infecciosos</p>	26 27
MIF (factor inhibidor de la migración de macrófagos)	Linfocitos T, células del páncreas y la glándula pituitaria	Citocina proinflamatoria con un papel importante en la respuesta a endotoxinas	El nivel de expresión de MIF y los niveles de macrófagos pueden ser un buen índice en el diagnóstico temprano	28

Continúa de la Tabla 1...

PBEF (visfatina)	Linfocitos activados en células estromales de la médula ósea. Recientemente identificado como una adipocina, debido a sus altos niveles de expresión en adipocitos	Induce la expresión de citocinas inflamatorias tales como TNF- α , IL-1 β y IL-6	Niveles altos de esta citocina pueden encontrarse en la circulación sistémica de los pacientes con sepsis, lesión pulmonar aguda, y otros procesos inflamatorios	29
			El polimorfismo -1001T/G se asociada con un aumento en la susceptibilidad y mayor riesgo de mortalidad, mientras que el polimorfismo -1543C/T se asoció con un mejor pronóstico	30
NF- κ B	Factor de transcripción clave en la regulación de varios genes de la respuesta proinflamatoria	Regula la expresión de genes como: moléculas de adhesión (ICAM-1), enzimas (iNOS, ciclooxigenasa-2) y citocinas (IL-1 β , TNF- α , IL-6) y quimiocinas		31
		La presencia del haplotipo GTC (-881G/-826T/-297C) del gen NF-KBIA	Se asocia con un mayor riesgo de SDRA en caucásicos	32
		Polimorfismo en el promotor de NFKB1 (-94ins/delATTG o -24.219ins/delATTG)	Influye en la gravedad, pero no en la mortalidad del SDRA	33

el espacio aéreo alveolar requiere una barrera epitelial alveolar intacta, y pacientes con bajas tasas de drenado tienen una mayor duración de ventilación mecánica, mala oxigenación y mayor mortalidad en comparación con los pacientes que tienen tasas normales de drenaje. Los daños al epitelio alveolar son parte de los fenómenos observados en la LPA y su mayor comprensión puede ser de valor pronóstico en SDRA. Algunos marcadores potenciales de lesiones en el epitelio alveolar incluyen proteínas del surfactante (SP), así como glicoproteína KL-6, todos los cuales son liberados de células epiteliales tipo II lesionadas. Las moléculas asociadas a estos fenómenos se muestran en la tabla 3.

MARCADORES DE LESIÓN ENDOTELIAL

El endotelio microvascular pulmonar es un órgano metabólicamente activo esencial para mantener la homeostasis pulmonar y cardiovascular. Los estímulos dañinos comprometen la integridad estructural y funcional endotelial pulmonar, y conducen a la formación de edema pulmonar no cardiogénico e inflamación parenquimal. Así, el endotelio pulmonar tiene un papel clave en el desarrollo de la LPA y el SDRA. Las moléculas que se asocian con alteraciones en el endotelio microvascular se muestran en la tabla 4.

MECANISMOS ANTIOXIDANTES

Se cree que las especies reactivas del oxígeno (ROS) juegan un papel muy importante en la patogenia del SDRA, pero el mecanismo no está bien comprendido.

Los radicales de oxígeno (RO) se producen en altas concentraciones bajo condiciones de isquemia-reperusión. Para protegerse de sus efectos dañinos, las células producen varios tipos de sistemas antioxidantes. Dentro de los antioxidantes enzimáticos tenemos a la superóxido dismutasa (SOD), enzima que se expresa fuertemente en los pulmones y juega un papel importante como regulador de procesos inflamatorios y estrés oxidativo. El gen para SOD se presenta en el cromosoma 4 y la presencia de SNPs da como resultado el remplazo de una Arg por una Gly, lo cual produce un aumento de 10 veces en la actividad enzimática. Además de esta alteración, otros tres SNPs parecen estar asociados con el SDRA. Arcaroli *et al.*,⁶³ encontraron que en 179 pacientes caucásicos con el haplotipo GCCT, presentaron protección para el SDRA (tal vez por promover niveles elevados de SOD en pulmón) y una menor mortalidad.

Todas las evidencias sugieren que los ROS pueden desempeñar un papel clave en la fase de iniciación del SDRA, mientras que el anión superóxido puede ser un actor protagónico en este proceso, y SOD funcionar como un sistema protector de SDRA.

Tabla 2. Marcadores relacionados a cambios en la permeabilidad y tono vascular en SDRA.

Molécula	Fuente	Función	Asociación con LPA/SDRA	Ref.
TGF- α	Miembro de la familia de péptidos de factor de crecimiento epidérmico (EGF). Es producida por macrófagos, células del cerebro y queratinocitos	Induce desarrollo epitelial	Niveles elevados en LBA de pacientes con SDRA En experimentos <i>in vitro</i> , se ha mostrado que TGF- α induce reparación del epitelio alveolar	34
TGF- β	Producido por linfocitos T, plaquetas y otros muchos tipos celulares. Presenta al menos cinco isoformas (TGF- β 1- β 5)	Incrementa la proliferación de fibroblastos, osteoblastos y células de músculo liso e incrementa la síntesis de la matriz extracelular y es capaz de inducir la fibroproliferación. Inhibe la síntesis y/o el efecto del IFN-gamma, TNF-alfa, TNF-beta, IL-1, IL-2 e IL-3	Con relevancia no sólo en las fases tempranas de la lesión pulmonar aguda, sino también afecta el funcionamiento del drenado de líquido alveolar al interferir con las vías de señalización que conducen a la activación del canal de sodio (ENaC)	35,36
VEGF	Secretado por macrófagos, plaquetas, queratinocitos, y células mesangiales renales		Los niveles de VEGF aumentan en plasma y se reducen en el intersticio pulmonar	37
	También es secretada por células alveolares en respuesta a una serie de estímulos proinflamatorios	Polimorfismo +936C/T (rs3025039) se ha relacionado con bajos niveles de VEGF en plasma, mientras que el 2460C/T (rs833061) y los polimorfismos +405C/G (rs2010963) han demostrado aumentar significativamente la producción de VEGF	En el polimorfismo +936C/T, las frecuencias de los genotipos CT y TT estaban aumentadas en los pacientes con SDRA, y se asocian significativamente con aumento en la mortalidad	38
Ang-2 (angiopoietina)	Producida por el endotelio y en menor concentración la Ang-2 es sintetizada por macrófagos	Reguladores de permeabilidad vascular	Asociación positiva entre altas concentraciones de Ang-2 en plasma y SDRA inducida por sepsias Niveles más altos de Ang-2 en los pacientes que desarrollaron SDRA	39,40
		Polimorfismos de Angpt-2 parecen asociarse con niveles más altos de Ang-2 en el plasma Aumento de la permeabilidad vascular		41
ACE (convertasa de angiotensina)	Altamente expresada en los pulmones, donde degrada la bradiquinina y cataliza la formación de la angiotensina II (Ang II). Se encuentra en cantidades variables en la superficie de las células epiteliales y endoteliales del pulmón	Polimorfismo funcional, consiste en una inserción (I) o delección (D) de un fragmento de 287 bp en el intrón 16 que determina tres genotipos (DD, ID y II) La presencia del alelo D se asocia con una mayor actividad de ACE en circulación y tejido y, consecuentemente, con niveles significativamente mayores de Ang II y menores de bradiquinina	Frecuencia de genotipo DD aumentado en los pacientes con SDRA El polimorfismo I/D no se asocia con susceptibilidad a LPA/SDRA, pero se asocia con el riesgo de mortalidad en población asiática	42,43

Continuación de la Tabla 2...

ACE2 (convertasa de angiotensina 2)	Se expresa abundantemente en las células Clara, monocitos tipo I y II, macrófagos, endotelio y epitelio bronquial	Es homólogo de ACE y funciona como un regulador negativo del sistema renina-angiotensina	En pacientes con SDRA hay un aumento en la actividad de la ACE y una disminución de la actividad de ACE2	44,45
MYLK (cinasa de cadena ligera de miosina)	Es una serina/treonina proteína quinasa específica que fosforila la cadena ligera reguladora de la miosina II. Existen cuatro isoformas diferentes: MYLK - músculo liso MYLK2 - esquelético MYLK3 - cardíaca MYLK4 - reciente	Relacionada con el incremento en la permeabilidad del endotelio vascular pulmonar; también es esencial para el movimiento de neutrófilos	Evidencia sólida para el papel de MLCK en la patogenicidad y la susceptibilidad del SDRA	46
		Un polimorfismo localizado en la región reguladora 5' del gen fue encontrada para los haplotipos EA y AA	Una asociación significativa para riesgo alto de desarrollar LPA	47

Tabla 3. Marcadores relacionados con la tensión superficial, quimiotaxis y motilidad celular.

Molécula	Fuente	Función	Asociación con LPA/SDRA	Ref.
Surfactante pulmonar	Neumocitos tipo II	Complejo de lípidos y proteínas capaz de reducir significativamente la tensión superficial dentro de los alvéolos pulmonares		
SP-A y SP-D	Moléculas hidrofílicas de alto peso molecular con papeles marcados en inmunidad innata		Se encontraron niveles bajos de SP-A en LBA con un valor predictivo negativo del 100%. Elevados niveles en plasma de SP-A en pacientes con riesgo de SDRA secundario a sepsis y bronco aspiración, pero no en traumatismo grave Niveles plasmáticos elevados de SP-D se asocian con un aumento del riesgo para desarrollar LPA	48,49
SP-B y SP-C	Son especies hidrofóbicas de bajo peso molecular esenciales para la integridad de la membrana epitelial alveolar		Variación alélica -1580C/T del exón 4 del gen que codifica la proteína SP-B, se asocia con una mayor susceptibilidad a SDRA en mujeres pero no en hombres	50,51
Glicoproteína KL-6 (Krebs von den Lungen-6)	El tipo de mucina es expresado en los neumocitos tipo II y por células epiteliales bronquiales	Sus niveles en plasma correlacionan con el índice de daño epitelio alveolar y permeabilidad alvéolo capilar	El marcador es inespecífico. Los niveles plasmáticos KL-6 son superiores en pacientes que fallecen por SDRA	52,53

Tabla 4. Marcadores relacionados con la lesión endotelial.

Molécula	Fuente	Función	Asociación con LPA/SDRA	Ref.
CYB5R3 (citocromo-b5 reductasa)	En los eritrocitos está presente como una isoforma soluble que funciona para reducir la metahemoglobina a hemoglobina	Sirve como un donador de electrones para el sistema del citocromo P ₄₅₀ . Tiene un impacto directo sobre el estado de la cascada inflamatoria	La expresión disminuye significativamente desde las primeras etapas de la lesión pulmonar. A la fecha no existen más evidencias clínicas que asocien al citocromo b5 con un valor de pronóstico para LPA/SDRA	54
RAGE	Es una proteína transmembranal de la superfamilia de inmunoglobulinas y receptor multiligando que une glicoproteínas modificadas (incluyendo proteína HMGB-1). Aunque tiene una expresión ubicua, sus niveles de expresión son mayores en pulmón	La interacción entre RAGE y sus ligandos resulta en la activación de genes proinflamatorios	Es un marcador específico de daño epitelial pulmonar. Tiene capacidad de diagnóstico para LPA y es factor pronóstico en pacientes que desarrollan SDRA por lesión pulmonar ventilatoria	55,56
SCGB1A1 (secretoglobina; proteína de células Claras;CC16)	Secretadas por las células Clara cuando son alteradas por un daño pulmonar inducido por agentes tóxicos	Funciona como un potente quimioatrayente de neutrófilos y como inhibidor de la fosfatasa A2	Desempeña un papel importante en la patofisiología del SDRA. Hay resultados contradictorios sobre la capacidad de SCGB1A1 para diagnosticar con precisión LPA/SDRA	57,58
		Un polimorfismo funcional -26G > A	Relacionado con la disminución de los niveles de esta proteína en suero. Asociación con este polimorfismo con susceptibilidad a SDRA	59
PI3, elafin (inhibidor de peptidasa 3)	Inhibidor de proteasa producido localmente en el pulmón	Juega un papel central en el control del exceso de actividad elastasa	La expresión de PI3 disminuye a medida que se reduce la gravedad del SDRA	60,61
		Tres variantes genéticas (rs19836491, rs6032040, y rs2664581)	El alelo rs2664581 (T34P) tiene una asociación significativa con mayor riesgo de SDRA. Adicionalmente, homocigóticos para un alelo A de rs2664581 mostraron niveles plasmáticos significativamente inferiores (p = 0.019) en comparación con homocigóticos o heterocigóticos para el alelo variante C	62

www.medigraphic.org.mx

Las anomalías de la química del hierro en plasma y pulmón también han sido demostradas en SDRA. El hierro es un catalizador biológico clave para la utilización de oxígeno, también puede inducir la formación de productos intermedios reactivos y dañinos. Existen mecanismos de protección para limitar la toxicidad de hierro, pero los pacientes con SDRA presentan una

disminución en la protección antioxidante contra el daño oxidativo catalizado por hierro.

La hemoxygenasa (HO) es la principal enzima implicada en el catabolismo del grupo hemo. Se conocen tres isoformas de hemoxygenasa: HO-1, HO-2, HO-3. La HO-1 es una forma inducible; normalmente se expresa en niveles bajos en la mayoría de los tejidos

(incluyendo neumocitos tipo II y macrófagos alveolares), pero su expresión es inducida por distintos estímulos fisiopatológicos como: la hipoxia, hiperoxia, óxido nítrico (NO), endotoxinas y citocinas proinflamatorias como IL-6 y TNF- α . Esta enzima es conocida como citoprotectora ya que cataliza la degradación del grupo hemo (un potente oxidante) para generar biliverdina-IX α , un ión ferroso (Fe $^{2+}$) y monóxido de carbono (CO). Biliverdina-IX α se convierte en bilirrubina-IX α , que es un potente antioxidante endógeno, con propiedades antiinflamatorias recién reconocidas, mientras que el Fe $^{2+}$ es secuestrado por ferritina, que posee efectos antiapoptóticos y antioxidantes adicionales. El CO tiene numerosas funciones biológicas, incluyendo propiedades antiinflamatorias y comparte muchas similitudes con el NO, como su capacidad para inhibir la proliferación de células de músculo liso y la agregación plaquetaria, así como capacidad para modular el tono vascular, aumentando los niveles de GMPc.⁶⁴

Los niveles de HO-1 se incrementan en varias enfermedades pulmonares como el SDRA, asma, fibrosis quística, fibrosis idiopática y en el rechazo o trasplante pulmonar, y juega un papel fundamental en la defensa del pulmón contra la respuesta inflamatoria, el estrés oxidativo y la lesión tisular, por lo que se le considera como un citoprotector en la LPA.⁶⁵

Además de sus propiedades antioxidantes y antiinflamatorias, datos recientes sugieren que HO-1 puede modular la expresión de la proteína surfactante B (SP-B) durante el SDRA.⁶⁶ En un modelo de ratón de SDRA inducido por nebulización con endotoxina, ratones deficientes en HO-1 desarrollaron graves daños fisiológicos en el pulmón, que correlacionan con una marcada reducción en los niveles de SP-B.⁶⁴ En otros estudios, la inducción de HO-1 también ha mostrado ser un factor de mejor pronóstico en animales con LPA inducida por lipopolisacárido (LPS), sugiriendo que esta enzima puede ser un blanco para activar su función en el tratamiento de pacientes con LPA/SDRA.

En un estudio retrospectivo de Mumby *et al.*, encontraron que las concentraciones de HO-1 en lavado bronquioalveolar (LBA) de pacientes con SDRA, se correlacionan significativamente con los índices de la movilización del hierro.⁶⁷ La inducción de HO-1 también ejerce funciones inmunomoduladoras en pacientes con LPA, y recientemente se ha encontrado que la activación PPAR γ (receptor activado por el proliferador de peroxisoma) es responsable de inducir la expresión de HO-1. Así, se propone que la activación del PPAR γ también puede ser una estrategia terapéutica en pacientes con LPA/SDRA.⁶⁸

Además, existe un polimorfismo en la región del promotor de HO-1 (gen: HMOX1) que provoca una re-

ducción en la expresión de la enzima, disminuyendo la capacidad citoprotectora, lo que da como resultado un mayor riesgo de enfermedades respiratorias. La variante más estudiada es el polimorfismo de dinucleótido de repetición [GT] n , localizado en aproximadamente -200 pb de la región proximal del promotor. La longitud del dinucleótido oscila entre [GT] $_{10}$ [GT] $_{40}$ y representa alelos continuos.⁶⁹ En un estudio con 437 pacientes caucásicos se encontró que el alelo L (GT > 31) correlacionó con un aumento en los niveles plasmáticos de HO-1 y se asoció con riesgo reducido a SDRA.⁷⁰

FACTORES RELACIONADOS CON LA COAGULACIÓN Y FIBRINÓLISIS

Además de los marcadores inflamatorios, aquellos que regulan la coagulación y la fibrinólisis parecen ser también marcadores predictivos en el resultado clínico en pacientes con LPA/SDRA. Y es que la activación de la célula endotelial y de la plaqueta puede conducir a una coagulopatía en pacientes con sepsis o SDRA.⁷¹

La fibrinólisis (proceso de disolución de fibrina por proteasas sanguíneas), también se encuentra alterado en pacientes con LPA/SDRA. Durante la fase exudativa del SDRA, se presenta un desequilibrio entre los procesos de activación de la coagulación y la activación de fibrinólisis. Se producen abundantes depósitos de fibrina bronquioloalveolar y fibronectina, los cuales promueven la formación de membrana hialina y posterior fibrosis alveolar. Moléculas implicadas en estos procesos se muestran en el tabla 5.

CONCLUSIÓN

Debido a que la LPA/SDRA es una condición que puede ocurrir como resultado de múltiples enfermedades, es probable que la fisiopatología que lleva a la falla pulmonar pueda ser muy diferente, a pesar del hecho de que un estado final común puede estar presente. En este sentido, diferenciar el LPA/SDRA basado en la condición subyacente ha sido ampliamente rechazado. Esta heterogeneidad parece ser la principal razón por la que difieren los resultados de la investigación básica de LPA y porqué al mismo tiempo, los ensayos clínicos a menudo no logran mostrar mejora en la supervivencia global, en varios parámetros fisiológicos o incluso la supervivencia de subgrupos específicos.

Más estudios de investigación básica con fenotipos más precisos que permitan disminuir la heterogeneidad de pacientes con LPA/SDRA deberían ser abordados. Éstos permitirán detallar los mecanismos fisiológicos, moleculares y celulares que protegen al pulmón de

Tabla 5. Marcadores relacionados a la coagulación.

Molécula	Fuente	Función	Asociación con LPA/SDRA	Ref.
La proteína C activada (APC; autoprotrombina IIA)	Es un inhibidor de la cascada de coagulación y previene la formación de coágulos mediante la inactivación de los factores Va y VIIIa	Otras funciones asociadas a la APC son: la supresión de interleucinas proinflamatorias, la adherencia de leucocitos al endotelio y la inhibición de la apoptosis mediada por p53. La APC también puede neutralizar PAI-I y promover la fibrinólisis	Existe una fuerte asociación entre los niveles bajos de APC en plasma, con una alta mortalidad y mayor dependencia de ayuda ventilatoria y para pacientes que desarrollan SDRA. En muchos de estos casos, los niveles de trombotomodulina en plasma o espacio alveolar son elevados y correlacionan con un mal pronóstico	72,73
FVL (factor V Leiden)	Una sustitución del aminoácido (Arg506Gln) en el factor V de coagulación causa resistencia a la APC (APCR)	Incrementa los niveles de trombina	Pacientes heterocigotos para Arg506Gln del FVL presentan un aumento en la supervivencia a 30 días en comparación a los homocigotos para este gen	74,75
vWF (factor de von Willebrand)	Es una glicoproteína multimérica implicadas en la hemostasia. Se sintetiza principalmente en las células endoteliales y en menor medida en las plaquetas	Realiza funciones duales como la unión de plaquetas al endotelio y como una proteína de transporte para el factor VIII	Su utilidad no ha sido aún completamente validada. Un aumento de vWF en el suero y LBA de pacientes con LPA, correlaciona con mayor tasa de mortalidad y menos días de ventilación no asistida	71,76,77
Urocinasa	Existen dos formas de urocinasa: uPA y tPA. Producido por células endoteliales activadas	La uPA es una serin-proteasa que activa el plasminógeno para formar la plasmina. Participa en la trombólisis o degradación de la matriz extracelular. Adicionalmente, la uPA potencia la activación de neutrófilos. El polimorfismo del gene de uPA es: haplotipo CGCCCC	Concentraciones elevadas de la enzima contribuyen a la severidad del cuadro. Una actividad disminuida de uroquinasa en LBA de pacientes con LPA/SDRA, se asocia con niveles elevados de PAI-1. Presenta una fuerte asociación estadística con el índice de mortalidad a 60 días y días libres con ayuda ventilatoria	78 79
PAI-1 (inhibidor del activador del plasminógeno-1)	Expresado por células endoteliales y otras células inflamatorias	Regula la actividad de: uPA y tPA y contribuye a la remodelación tisular	La elevación se asocia con un aumento de la mortalidad y más días de ayuda ventilatoria	80,81

lesiones y estrés mecánico y que potencialmente modulan la inflamación sistémica.

Entender los marcadores bioquímicos y biológicos implicados en la respuesta compleja e inflamatoria del SDRA ofrece la posibilidad de futuras investigaciones al tratamiento objetivo de estos mediadores

para predecir con mayor precisión el inicio o el resultado de la lesión que se produce en los pulmones. Métodos celulares y moleculares combinados con modelos animales y estudios clínicos pueden conducir a nuevos avances en la detección y el tratamiento del SDRA.

REFERENCIAS

1. Donahoe M. *Acute respiratory distress syndrome: A clinical review*. *Pulm Circ* 2011;1(2):192-211. doi: 10.4103/2045-8932.83454.
2. Rubenfeld GD, Herridge MS. *Epidemiology and outcomes of acute lung injury*. *Chest* 2007;131(2):554-562.
3. Walkey AJ, Summer R, Ho V, Alkana P. *Acute respiratory distress syndrome: epidemiology and management approaches*. *Clin Epidemiol* 2012;4:159-169. doi: 10.2147/CLEP.S28800.
4. ARDS Definition Task Force; Ranieri VM, Rubenfeld GD, Thompson BT, et al. *Acute respiratory distress syndrome: the Berlin definition*. *JAMA* 2012;307(23):2526-2533. doi: 10.1001/jama.2012.5669.
5. Fanelli V, Vlachou A, Ghannadian S, Simonetti U, Slutsky AS, Zhang H. *Acute respiratory distress syndrome: new definition, current and future therapeutic options*. *J Thorac Dis* 2013;5(3):326-334. doi: 10.3978/j.issn.2072-1439.2013.04.05.
6. Pierrakos C, Karanikolas M, Scolletta S, Karamouzou V, Velissaris D. *Acute respiratory distress syndrome: pathophysiology and therapeutic options*. *J Clin Med Res* 2012;4(1):7-16. doi: 10.4021/jocmr761w.
7. Nader ND, McQuiller PS, Raghavendran K, Spengler RN, Knight PR. *The role of alveolar macrophages in the pathogenesis of aspiration pneumonia*. *Immunol Invest* 2007;36(4):457-471.
8. Ware LB. *Pathophysiology of acute lung injury and the acute respiratory distress syndrome*. *Semin Respir Crit Care Med* 2006;27(4):337-349.
9. Teuffel O, Ethier MC, Beyene J, Sung L. *Association between tumor necrosis factor-alpha promoter -308 A/G polymorphism and susceptibility to sepsis and sepsis mortality: a systematic review and meta-analysis*. *Crit Care Med* 2010;38(1):276-282. doi: 10.1097/CCM.0b013e3181b42af0.
10. Gong MN, Zhou W, Williams PL, et al. *-308GA and TNFB polymorphisms in acute respiratory distress syndrome*. *Eur Respir J* 2005;26(3):382-389.
11. Parsons PE, Eisner MD, Thompson BT, et al.; NHLBI Acute Respiratory Distress Syndrome Clinical Trials Network. *Lower tidal volume ventilation and plasma cytokine markers of inflammation in patients with acute lung injury*. *Crit Care Med* 2005;33(1):1-6.
12. Olman MA, White KE, Ware LB, et al. *Pulmonary edema fluid from patients with early lung injury stimulates fibroblast proliferation through IL-1 beta-induced IL-6 expression*. *J Immunol* 2004;172(4):2668-2677.
13. Ganter MT, Roux J, Miyazawa B, et al. *Interleukin-1beta causes acute lung injury via alphavbeta5 and alphavbeta6 integrin-dependent mechanisms*. *Circ Res* 2008;102(7):804-812. doi: 10.1161/CIRCRESA-HA.107.161067.
14. Park WY, Goodman RB, Steinberg KP, et al. *Cytokine balance in the lungs of patients with acute respiratory distress syndrome*. *Am J Respir Crit Care Med* 2001;164(10 Pt 1):1896-1903.
15. Meyer NJ, Feng R, Li M, et al. *IL1RN coding variant is associated with lower risk of acute respiratory distress syndrome and increased plasma IL-1 receptor antagonist*. *Am J Respir Crit Care Med* 2013;187(9):950-959. doi: 10.1164/rccm.201208-1501OC.
16. McClintock D, Zhuo H, Wickersham N, Matthay MA, Ware LB. *Biomarkers of inflammation, coagulation and fibrinolysis predict mortality in acute lung injury*. *Crit Care* 2008;12(2):R41. doi: 10.1186/cc6846.
17. Lin WC, Lin CF, Chen CL, Chen CW, Lin YS. *Prediction of outcome in patients with acute respiratory distress syndrome by bronchoalveolar lavage inflammatory mediators*. *Exp Biol Med (Maywood)* 2010;235(1):57-65. doi: 10.1258/ebm.2009.009256.
18. Flores C, Ma SF, Maresso K, Wade MS, Villar J, Garcia JG. *IL6 gene-wide haplotype is associated with susceptibility to acute lung injury*. *Transl Res* 2008;152(1):11-17. doi: 10.1016/j.trsl.2008.05.006.
19. Mukaida N. *Pathophysiological roles of interleukin-8/CXCL8 in pulmonary diseases*. *Am J Physiol Lung Cell Mol Physiol* 2003;284(4):L566-577.
20. Schottelius AJ, Mayo MW, Sartor RB, Baldwin AS Jr. *Interleukin-10 signaling blocks inhibitor of kappa B kinase activity and nuclear factor kappa B DNA binding*. *J Biol Chem* 1999;274(45):31868-31874.
21. Gong MN, Thompson BT, Williams PL, et al. *Interleukin-10 polymorphism in position -1082 and acute respiratory distress syndrome*. *Eur Respir J* 2006;27(4):674-681.
22. Cross LJ, Matthay MA. *Biomarkers in acute lung injury: insights into the pathogenesis of acute lung injury*. *Crit Care Clin* 2011;27(2):355-377. doi: 10.1016/j.ccc.2010.12.005.
23. Ito Y, Mason RJ. *The effect of interleukin-13 (IL-13) and interferon-gamma (IFN-gamma) on expression of surfactant proteins in adult human alveolar type II cells in vitro*. *Respir Res* 2010;11:157. doi: 10.1186/1465-9921-11-157.
24. Bajwa EK, Khan UA, Januzzi JL, Gong MN, Thompson BT, Christiani DC. *Plasma C-reactive protein levels are associated with improved outcome in ARDS*. *Chest* 2009;136(2):471-480. doi: 10.1378/chest.08-2413.
25. Tseng JS, Chan MC, Hsu JY, Kuo BI, Wu CL. *Procalcitonin is a valuable prognostic marker in ARDS caused by community-acquired pneumonia*. *Respirology* 2008;13(4):505-509. doi: 10.1111/j.1440-1843.2008.01293.x.
26. Turner MW. *The role of mannose-binding lectin in health and disease*. *Mol Immunol* 2003;40(7):423-429.
27. Garred P, Pressler T, Madsen HO, et al. *Association of mannose-binding lectin gene heterogeneity with severity of lung disease and survival in cystic fibrosis*. *J Clin Invest* 1999;104(4):431-437.
28. Gao L, Flores C, Fan-Ma S, et al. *Macrophage migration inhibitory factor in acute lung injury: expression, biomarker, and associations*. *Transl Res* 2007;150(1):18-29.
29. Luk T, Malam Z, Marshall JC. *Pre-B cell colony-enhancing factor (PBEF)/visfatin: a novel mediator of innate immunity*. *J Leukoc Biol* 2008;83(84):804-816. doi: 10.1189/jlb.0807581.

30. Bajwa EK, Yu CL, Gong MN, Thompson BT, Christiani DC. *Pre-B-cell colony-enhancing factor gene polymorphisms and risk of acute respiratory distress syndrome*. Crit Care Med 2007;35(5):1290-1295.
31. Christman JW, Sadikot RT, Blackwell TS. *The role of nuclear factor-kappa B in pulmonary diseases*. Chest 2000;117(5):1482-1487.
32. Adamzik M, Frey UH, Rieman K, et al. *Insertion/deletion polymorphism in the promoter of NFKB1 influences severity but not mortality of acute respiratory distress syndrome*. Intensive Care Med 2007;33(7):1199-1203.
33. Zhai R, Zhou W, Gong MN, et al. *Inhibitor kappa B-alpha haplotype GTC is associated with susceptibility to acute respiratory distress syndrome in Caucasians*. Crit Care Med 2007;35(3):893-898.
34. Madtes DK, Rubenfeld G, Klima LD, et al. *Elevated transforming growth factor-alpha levels in bronchoalveolar lavage fluid of patients with acute respiratory distress syndrome*. Am J Respir Crit Care Med 1998;158(2):424-430.
35. Peters DM, Vadász I, Wujak L, et al. *TGF- β directs trafficking of the epithelial sodium channel ENaC which has implications for ion and fluid transport in acute lung injury*. Proc Natl Acad Sci USA 2014;111(3):E374-383. doi: 10.1073/pnas.1306798111
36. Frank JA, Matthay MA. *TGF- β and lung fluid balance in ARDS*. Proc Natl Acad Sci USA 2014;111(3):885-886. doi: 10.1073/pnas.1322478111.
37. Medford AR, Millar AB. *Vascular endothelial growth factor (VEGF) in acute lung injury (ALI) and acute respiratory distress syndrome (ARDS): paradox or paradigm?* Thorax 2006;61(7):621-626.
38. Zhai R, Gong MN, Zhou W, et al. *Genotypes and haplotypes of the VEGF gene are associated with higher mortality and lower VEGF plasma levels in patients with ARDS*. Thorax 2007;62(8):718-722.
39. Fiedler U, Scharpfenecker M, Koidl S, et al. *The Tie-2 ligand angiopoietin-2 is stored in and rapidly released upon stimulation from endothelial cell Weibel-Palade bodies*. Blood 2004;103(11):4150-4156.
40. Gallagher DC, Parikh SM, Balonov K, et al. *Circulating angiopoietin 2 correlates with mortality in a surgical population with acute lung injury/adult respiratory distress syndrome*. Shock 2008;29(6):656-661.
41. Meyer NJ, Li M, Feng R, et al. *ANGPT2 genetic variant is associated with trauma-associated acute lung injury and altered plasma angiopoietin-2 isoform ratio*. Am J Respir Crit Care Med 2011;183(10):1344-1353. doi: 10.1164/rccm.201005-0701OC.
42. Marshall RP, Webb S, Bellingan GJ, et al. *Angiotensin converting enzyme insertion/deletion polymorphism is associated with susceptibility and outcome in acute respiratory distress syndrome*. Am J Respir Crit Care Med 2002;166(5):646-650.
43. Matsuda A, Kishi T, Jacob A, Aziz M, Wang P. *Association between insertion/deletion polymorphism in angiotensin-converting enzyme gene and acute lung injury/acute respiratory distress syndrome: a meta-analysis*. BMC Med Genet 2012;13:76.
44. Imai Y, Kuba K, Penninger JM. *Angiotensin-converting enzyme 2 in acute respiratory distress syndrome*. Cell Mol Life Sci 2007;64(15):2006-2012.
45. Wösten-van Asperen RM, Bos AP, Bem RA, et al. *Imbalance between pulmonary angiotensin-converting enzyme and angiotensin-converting enzyme 2 activity in acute respiratory distress syndrome*. Pediatr Crit Care Med 2013;14(9):e438-441. doi: 10.1097/PCC.0b013e3182a55735.
46. Christie JD, Ma SF, Aplenc R, et al. *Variation in the myosin light chain kinase gene is associated with development of acute lung injury after major trauma*. Crit Care Med 2008;36(10):2794-2800.
47. Gao L, Grant A, Halder I, et al. *Novel polymorphisms in the myosin light chain kinase gene confer risk for acute lung injury*. Am J Respir Cell Mol Biol 2006;34(4):487-495.
48. McCormack FX, Gibbons R, Ward SR, Kuzmenko A, Wu H, Deepe GS Jr. *Macrophage-independent fungicidal action of the pulmonary collections*. J Biol Chem 2003;278(38):36250-36256.
49. Eisner MD, Parsons P, Matthay MA, Ware L, Greene K; Acute Respiratory Distress Syndrome Network. *Plasma surfactant protein levels and clinical outcomes in patients with acute lung injury*. Thorax 2003;58(11):983-988.
50. Gong MN, Wei Z, Xu LL, Miller DP, Thompson BT, Christiani DC. *Polymorphism in the surfactant protein-B gene, gender, and the risk of direct pulmonary injury and ARDS*. Chest 2004;125(1):203-211.
51. Quasney MW, Waterer GW, Dahmer MK, et al. *Association between surfactant protein B + 1580 polymorphism and the risk of respiratory failure in adults with community-acquired pneumonia*. Crit Care Med 2004;32(5):1115-1119.
52. Sato H, Callister ME, Mumby S, et al. *KL-6 levels are elevated in plasma from patients with acute respiratory distress syndrome*. Eur Respir J 2004;23(1):142-145.
53. Ishizaka A, Matsuda T, Albertine KH, et al. *Elevation of KL-6, a lung epithelial cell marker, in plasma and epithelial lining fluid in acute respiratory distress syndrome*. Am J Physiol Lung Cell Mol Physiol 2004;286(6):L1088-1094.
54. Ménoret A, Kumar S, Vella AT. *Cytochrome b5 and cytokeratin 17 are biomarkers in bronchoalveolar fluid signifying onset of acute lung injury*. PLoS One 2012;7(7):e40184. doi: 10.1371/journal.pone.0040184.
55. Creagh-Brown BC, Quinlan GJ, Evans TW, Burke-Gaffney A. *The RAGE axis in systemic inflammation, acute lung injury and myocardial dysfunction: an important therapeutic target?* Intensive Care Med 2010;36(19):1644-1656. doi: 10.1007/s00134-010-1952-z.
56. Fremont RD, Koyama T, Calfee CS, et al. *Acute lung injury in patients with traumatic injuries: utility of a panel of biomarkers for diagnosis and pathogenesis*. J Trauma 2010;68:1121-1127. doi: 10.1097/TA.0b013e3181c40728.
57. Determann RM, Millo JL, Waddy S, Lutter R, Garrard CS, Schultz MJ. *Plasma CC16 levels are associated with development of ALI/ARDS in patients with ventilator-*

- associated pneumonia: a retrospective observational study. *BMC Pulm Med* 2009;9:49. doi: 10.1186/1471-2466-9-49.
58. Kropski JA, Fremont RD, Calfee CS, Ware LB. *Clara cell protein (CC16), a marker of lung epithelial injury, is decreased in plasma and pulmonary edema fluid from patients with acute lung injury.* *Chest* 2009;135(6):1440-1447. doi: 10.1378/chest.08-2465.
59. Frerking I, Sengler C, Günther A, et al. *Evaluation of the -26G > A CC16 polymorphism in acute respiratory distress syndrome.* *Crit Care Med* 2005;33(10):2404-2406.
60. Wang Z, Beach D, Su L, Zhai R, Christiani DC. *A genome-wide expression analysis in blood identifies pre-elafin as a biomarker in ARDS.* *Am J Respir Cell Mol Biol* 2008;38(6):724-732. doi: 10.1165/rcmb.2007-0354OC.
61. Wang Z, Chen F, Zhai R, et al. *Plasma neutrophil elastase and elafin imbalance is associated with acute respiratory distress syndrome (ARDS) development.* *PLoS One* 2009;4(2):e4380. doi: 10.1371/journal.pone.0004380.
62. Tejera P, Wang Z, Zhai R, et al. *Genetic polymorphisms of peptidase inhibitor 3 (elafin) are associated with acute respiratory distress syndrome.* *Am J Respir Cell Mol Biol* 2009;41(6):696-704. doi: 10.1165/rcmb.2008-0410OC.
63. Arcaroli JJ, Hokanson JE, Abraham E, et al. *Extracellular superoxide dismutase haplotypes are associated with acute lung injury and mortality.* *Am J Respir Crit Care Med* 2009;179(2):105-112. doi: 10.1164/rccm.200710-1566OC.
64. Fredenburgh LE, Baron RM, Carvajal IM, et al. *Absence of heme oxygenase-1 expression in the lung parenchyma exacerbates endotoxin-induced acute lung injury and decreases surfactant protein-B levels.* *Cell Mol Biol (Noisy-le-grand)* 2005;51(5):513-520.
65. Fredenburgh LE, Perrella MA, Mitsialis SA. *The role of heme oxygenase-1 in pulmonary disease.* *Am J Respir Cell Mol Biol* 2007;36(2):158-165.
66. Adamzik M, Frey U, Sixt S, et al. *ACE I/D but not AGT (-6)A/G polymorphism is a risk factor for mortality in ARDS.* *Eur Respir J* 2007;29(3):482-488.
67. Mumby S, Upton RL, Chen Y, et al. *Lung heme oxygenase-1 is elevated in acute respiratory distress syndrome.* *Crit Care Med* 2004;32(5):1130-1135.
68. Wang G, Han D, Zhang Y, et al. *A novel hypothesis: up-regulation of HO-1 by activation of PPAR γ inhibits HMGB1-RAGE signaling pathway and ameliorates the development of ALI/ARDS.* *J Thorac Dis* 2013;5(5):706-710. doi: 10.3978/j.issn.2072-1439.2013.08.69.
69. Exner M, Minar E, Wagner O, Schillinger M. *The role of heme oxygenase-1 promoter polymorphisms in human disease.* *Free Radic Biol Med* 2004;37(8):1097-1104.
70. Sheu CC, Zhai R, Wang Z, et al. *Heme oxygenase-1 microsatellite polymorphism and haplotypes are associated with the development of acute respiratory distress syndrome.* *Intensive Care Med* 2009;35(8):1343-1351. doi: 10.1007/s00134-009-1504-6.
71. Flori HR, Ware LB, Milet M, Matthay MA. *Early elevation of plasma von Willebrand factor antigen in pediatric acute lung injury is associated with an increased risk of death and prolonged mechanical ventilation.* *Pediatr Crit Care Med* 2007;8(2):96-101.
72. Ware LB, Fang X, Matthay MA. *Protein C and thrombomodulin in human acute lung injury.* *Am J Physiol Lung Cell Mol Physiol* 2003;285(3):L514-L521.
73. Yan SB, Helterbrand JD, Hartman DL, Wright TJ, Bernard GR. *Low levels of protein C are associated with poor outcome in severe sepsis.* *Chest* 2001;120(3):915-922.
74. Adamzik M, Frey UH, Riemann K, et al. *Factor V Leiden mutation is associated with improved 30-day survival in patients with acute respiratory distress syndrome.* *Crit Care Med* 2008;36(6):1776-1779. doi: 10.1097/CCM.0b013e318174373d.
75. Benfield T, Ejrnaes K, Juul K, et al. *Influence of factor V Leiden on susceptibility to and outcome from critical illness: a genetic association study.* *Crit Care* 2010;14(2):R28. doi: 10.1186/cc8899.
76. Ware LB, Conner ER, Matthay MA. *von Willebrand factor antigen is an independent marker of poor outcome in patients with early acute lung injury.* *Crit Care Med* 2001;29(12):2325-2331.
77. Ware LB, Eisner MD, Thompson BT, Parsons PE, Matthay MA. *Significance of von Willebrand factor in septic and nonseptic patients with acute lung injury.* *Am J Respir Crit Care Med* 2004;170(7):766-772.
78. Sapru A, Curley MA, Brady S, Matthay MA, Flori H. *Elevated PAI-1 is associated with poor clinical outcomes in pediatric patients with acute lung injury.* *Intensive Care Med* 2010;36(1):157-163. doi: 10.1007/s00134-009-1690-2.
79. Arcaroli J, Sankoff J, Liu N, Allison DB, Maloney J, Abraham E. *Association between urokinase haplotypes and outcome from infection-associated acute lung injury.* *Intensive Care Med* 2008;34(2):300-307.
80. Prabhakaran P, Ware LB, White KE, Cross MT, Matthay MA, Olman MA. *Elevated levels of plasminogen activator inhibitor-1 in pulmonary edema fluid are associated with mortality in acute lung injury.* *Am J Physiol Lung Cell Mol Physiol* 2003;285(1):L20-28.
81. Ware LB, Matthay MA, Parsons PE, Thompson BT, Januzzi JL, Eisner MD; National Heart, Lung, and Blood Institute Acute Respiratory Distress Syndrome Clinical Trials Network. *Pathogenetic and prognostic significance of altered coagulation and fibrinolysis in acute lung injury/acute respiratory distress syndrome.* *Crit Care Med* 2007;35(8):1821-1828.

✉ **Correspondencia:**

Dr. Raúl Barrera Rodríguez
Departamento de Bioquímica y Medicina Ambiental
Instituto Nacional de Enfermedades Respiratorias
Ismael Cosío Villegas. Calzada de Tlalpan Núm. 4502,
Colonia Sección XVI, 14080, México, D.F.
Tel: 52-5554871771
Correo electrónico: barrerrarr@hotmail.com
raul_barrera@iner.gob.mx

Los autores declaran no tener conflicto de intereses.