



ARTÍCULO DE REVISIÓN

Nuevas perspectivas en el síndrome de QT largo

Argelia Medeiros-Domingo,* Pedro Iturralde-Torres,**
Samuel Canizales-Quinteros,* Arturo Hernández-Cruz,*** Ma. Teresa Tusié-Luna*

* Unidad de Biología Molecular y Medicina Genómica, Instituto de Investigaciones Biomédicas.
Universidad Nacional Autónoma de México e Instituto Nacional de Ciencias Médicas y Nutrición Salvador Zubirán.
** Instituto Nacional de Cardiología "Ignacio Chávez".
*** Instituto de Fisiología Celular, Universidad Nacional Autónoma de México.

New perspectives in long QT syndrome

ABSTRACT

Long QT Syndrome (LQTS) is a cardiac channelopathy characterized by prolonged ventricular repolarization and increased risk to sudden death secondary to ventricular dysrhythmias. Was the first cardiac channelopathy described and is probably the best understood. After a decade of the sentinel identification of ion channel mutation in LQTS, genotype-phenotype correlations have been developed along with important improvement in risk stratification and genetic guided-treatment. Genetic screening has shown that LQTS is more frequent than expected and interestingly, ethnic specific polymorphism conferring increased susceptibility to drug induced QT prolongation and torsades de pointes have been identified. A better understanding of ventricular arrhythmias as an adverse effect of ion channel binding drugs, allow the development of more safety formulas and better control of this public health problem. Progress in understanding the molecular basis of LQTS has been remarkable; eight different genes have been identified, however still 25% of patients remain genotype-negative. This article is an overview of the main LQTS knowledge developed during the last years.

Key words: Sudden death. Long QT Syndrome. Cardiac channelopathies. Arrhythmias.

INTRODUCCIÓN

El síndrome de QT largo (SQTL) se caracteriza por una grave alteración en la repolarización ventricular; se manifiesta en el electrocardiograma (ECG) por un alargamiento en el intervalo QT que predispone a arritmias ventriculares malignas –taquicardia helicoidal– y muerte súbita. El cuadro clínico es muy varia-

RESUMEN

El síndrome de QT largo (SQTL) es una canalopatía que genera grave alteración en la repolarización ventricular predisponiendo a arritmias malignas y muerte súbita. Fue la primera canalopatía arritmogénica descrita y quizás la mejor entendida hasta ahora. Transcurrida ya más de una década de la identificación de la primera mutación asociada al SQTL, se ha hecho evidente que este trastorno es mucho más frecuente de lo que inicialmente se pensaba; los avances en el conocimiento de la fisiopatología molecular de esta enfermedad han permitido hacer una correlación genotipo-fenotipo, optimizando el tratamiento y permitiendo estratificar el riesgo en forma precisa. Se ha logrado entender con mayor detalle los efectos adversos de distintas drogas que interactúan con los canales iónicos, permitiendo así generar fármacos más seguros y, en su defecto, monitorizar de cerca aquellos que a pesar de tener este efecto adverso, es necesaria su administración. Los avances son importantes pero no todo está dicho, 25% de los casos no tienen mutaciones en los genes descritos hasta la fecha, por lo que el SQTL continúa siendo motivo de investigación. El presente artículo constituye un resumen de los principales conceptos desarrollados en los últimos diez años que han sido cruciales en el manejo de esta enfermedad.

Palabras clave. Muerte súbita. Síndrome de QT largo. Canalopatías. Arritmias cardíacas.

ble: el paciente puede cursar asintomático, presentar síntome recurrente o bien muerte súbita como primera manifestación de la enfermedad. Inicialmente se catalogó como un trastorno raro, y efectivamente, la presentación grave de la enfermedad es esporádica. No obstante, los estudios genéticos han podido estimar una incidencia de mutaciones de 1/5,000. Tan sólo en Estados Unidos ocurren aproximadamente de

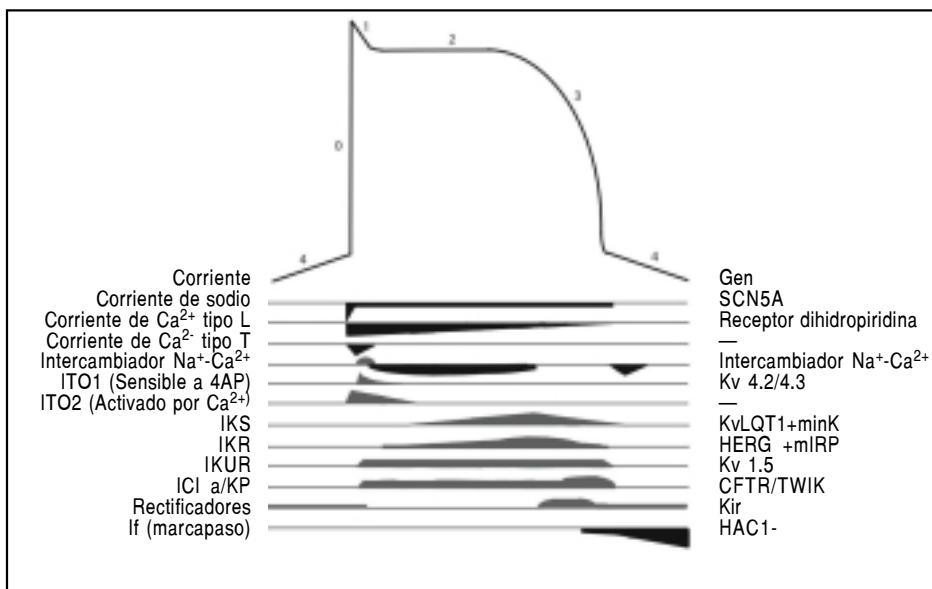


Figura 1. Principales corrientes iónicas implicadas en el potencial de acción de la célula miocárdica.

3,000 a 4,000 defunciones por año atribuidas a este síndrome. Se desconoce la incidencia de esta enfermedad en la población mexicana.

La muerte súbita se define como la ocurrida de forma inesperada y rápida (< 1 hora) en personas sin datos previos de enfermedad grave hasta el inicio de los síntomas.^{1,2} La principal causa es la cardiopatía isquémica, pero en 5-10% de los afectados en población general³ y el 30% en población joven⁴ (< 35 años), el corazón no muestra alteraciones macroscópicas. En este grupo de individuos hay que descartar una canalopatía arritmogénica como probable causa de muerte.

En 1989 se describió la primera enfermedad asociada a un canal iónico, la fibrosis quística. Desde entonces la lista de enfermedades asociadas a disfunción de estas cruciales estructuras de la membrana celular se ha incrementado en forma sorprendente, generando así lo que hoy conocemos como “canalopatías”.

Los canales iónicos son proteínas transmembranales macromoleculares, ensambladas en complejos heteromultiméricos que incluyen un poro y subunidades accesorias o modulatorias. Los canales son cruciales para el funcionamiento apropiado de todos los tipos celulares. En el miocardio, el transporte coordinado de iones por los distintos canales, es responsable de generar el potencial de acción que hace latir el corazón en forma ordenada por lo menos cien mil veces al día (Figura 1).⁵

El SQTL, descrito desde 1953,⁶ fue reconocido como canalopatía en 1995.^{7,8} A raíz de este hallazgo pionero, fueron identificadas diversas entidades clí-

nicas que predisponen a arritmias y/o muerte súbita. Entre las canalopatías que condicionan trastornos del ritmo o conducción, podemos citar, al síndrome de Brugada, el síndrome de QT corto, la taquicardia ventricular catecolaminérgica, la displasia arritmogénica del ventrículo derecho, la enfermedad en la conducción intraventricular cardiaca,⁹ enfermedad congénita del nodo sinusal, el bloqueo AV congénito y la fibrilación auricular familiar. A excepción de la displasia arritmogénica del ventrículo derecho, ninguna de estas enfermedades suele cursar con malformaciones cardíacas o alteraciones estructurales macroscópicas; con un interrogatorio clínico y análisis electrocardiográfico apropiados puede sospecharse en ellas.

PERSPECTIVA HISTÓRICA

En 1953, Herrlin y Möller⁶ reportaron el caso de un niño con sordera congénita y episodios repetitivos de síncope; por primera vez describieron los hallazgos electrocardiográficos del SQTL: intervalo QT anormalmente prolongado, alteraciones en la onda T y bradicardia. En 1957 Jervell y Lange Nielsen¹⁰ publicaron sus hallazgos en una familia de padres no consanguíneos con seis hijos, cuatro de los cuales tenían sordera congénita y episodios sincopales, tres de ellos tuvieron muerte súbita. El ECG de los casos mostraba un intervalo QT inusualmente largo. Ambos padres cursaban asintomáticos, tenían un ECG normal y no presentaban problemas de audición. En 1964, Romano y Ward publicaron en for-

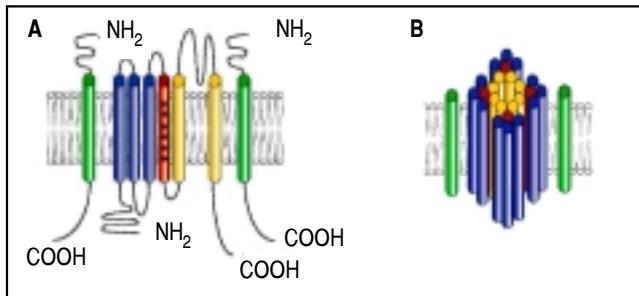


Figura 2. A. La subunidad alfa de los canales de potasio IK_R e IK_S contiene seis segmentos transmembranales. El 4º. segmento constituye el sensor de voltaje (rojo); el 5º. y 6º. (amarillo) corresponden a las regiones del poro del canal. En verde se muestran las subunidades beta. B. Configuración esquemática de los canales IK_R e IK_S en la membrana celular, generados al asociarse 4 subunidades alfa.

ma independiente un síndrome cardíaco familiar caracterizado por síncope recurrente, antecedente familiar de muerte súbita, prolongación del intervalo QT sin sordera neuronal.¹¹ Los estudios genéticos posteriores mostraron que el síndrome descrito por Jervell y Lange Nielsen, que se acompaña de sordera neuronal congénita, corresponde a mutaciones homocigotas, lo que da lugar a fenotipos muy graves con alto riesgo de muerte súbita. Por otro lado, el síndrome conocido como Romano-Ward corresponde a mutaciones heterocigotas: los pacientes no presentan trastornos en la audición y la gravedad de la enfermedad es muy variable.

En 1995 se describieron los primeros genes asociados al SQTL,^{7,12} fue la primera canalopatía cardíaca descrita como tal y quizás la mejor estudiada hasta la fecha. Se han identificado ya 8 loci que explican 70-75% de los casos. En 25-30% de los pacientes, no se encuentran alteraciones en los genes descritos.¹³

PRINCIPALES CANALES ASOCIADOS AL SQTL

Para fines de esta revisión, nos referiremos principalmente a los canales dependientes de voltaje que transportan selectivamente los iones K^+ y Na^+ , pues con mayor frecuencia se ven implicados en el SQTL.

Canales de potasio I_{Kr} e I_{Ks}

El corazón posee diversos subtipos de canales selectivos al transporte del ion K^+ cuya apertura es dependiente de voltaje (canales K_v). Típicamente, la salida de potasio es responsable de la repolarización celular y el fin del ciclo excitación-contracción.¹⁴

Los canales I_{Kr} e I_{Ks} , participan en la fase 3 del potencial de acción, son tetrámeros formados por la asociación de cuatro α -subunidades (Figura 2).

Cada subunidad α tiene seis dominios transmembranales denominados S1-S6 y una asa P, que forma el poro hidrofílico a través del cual transita el ion K^+ . La región S4 constituye el sensor de voltaje y las regiones S5 y S6 participan en la formación del poro. Las subunidades α son codificadas por los genes *KCNQ1* (o *KVLQT1*) para I_{Ks} y *KCNH2* (o *HERG*) para I_{Kr} e interactúan con subunidades ancillares llamadas MiNK (I_{Ks}) y MiRP,^{15,16} conocidas también como subunidades β , que modulan la cinética del canal.¹⁷ Estas subunidades son codificadas respectivamente por los genes *KCNE1* y *KCNE2*. Los canales de K^+ tienen diferentes propiedades biofísicas y diferente sensibilidad a fármacos. I_{Kr} es de activación rápida y se caracteriza por interactuar frecuentemente con diversos fármacos. I_{Ks} es de activación lenta; tiene la propiedad de ser regulado por el sistema nervioso simpático vía PKA y proteín fosfatasa 1.¹⁸ El aumento del tono simpático incrementa la contribución de esta corriente repolarizante, acortando así la duración del potencial de acción. Los pacientes con SQTL que tienen afección en el canal I_{Ks} , presentan una respuesta paradójica al incremento del tono simpático, prolongando la duración del potencial de acción, lo que favorece post-potenciales tempranos y arritmias fatales,¹⁹ de ahí la utilidad del tratamiento con betabloqueadores en estos enfermos, como veremos más adelante.

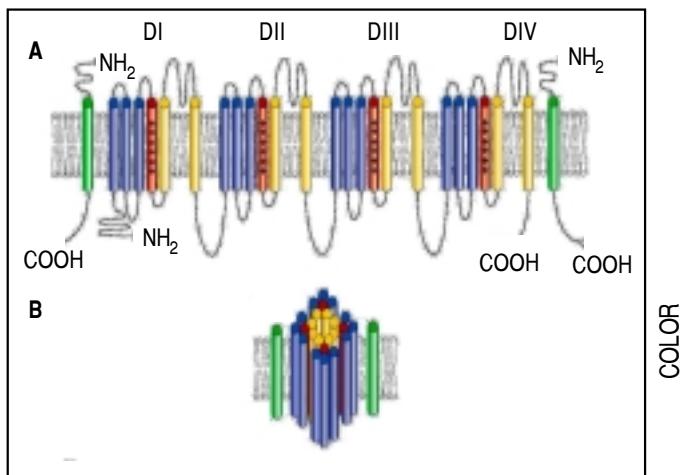


Figura 3. A. La subunidad alfa del canal de sodio contiene cuatro dominios transmembranales homólogos constituidos por seis segmentos. El 4º. segmento constituye el sensor de voltaje (rojo); los segmentos 5º. y 6º. (amarillos) son las regiones del poro del canal. En verde se muestran las subunidades beta. B. Configuración esquemática del canal en la membrana celular.

Canales de sodio

Se han descrito nueve isoformas de canal de sodio dependiente del voltaje en el humano (Nav1.1-1.9),²⁰ en el corazón predomina la isoforma Nav1.5. En 1992, Gellens, *et al.*, clonaron y caracterizaron el gen (*SCN5A*) que codifica la isoforma cardíaca.²¹ A diferencia de los canales de potasio descritos previamente, los canales de sodio son monómeros, formados por una estructura principal o subunidad α , de 260 kDa, que abarca cuatro dominios homólogos (Figura 3). Cada dominio tiene seis segmentos conectados entre sí por asas intra y extracelulares. El 4º segmento tiene residuos cargados positivamente y corresponde al sensor de voltaje. Entre los segmentos 5 y 6 se encuentra la región formadora del poro del canal. Esta región es altamente selectiva para los iones de Na+, y cataliza su transporte a través de la membrana. Diversas subunidades auxiliares, denominadas β , modulan la subunidad α .^{22,23} Hasta el momento se han descrito cuatro subtipos de subunidades β que han sido numeradas en forma progresiva según el orden de su descubrimiento.²⁴⁻²⁷

En el SQTL asociado a disfunción del canal de sodio Nav1.5, ocurre una inactivación inapropiada del canal, el cual permanece permeable a los iones Na+, cuando debería estar inactivado. Esta alteración ocasiona que durante la fase 2 exista una pequeña pero continua corriente despolarizante que prolonga la duración del potencial de acción.

CLASIFICACIÓN DEL SÍNDROME DE QT LARGO

La clasificación utilizada en la actualidad se fundamenta en el diagnóstico genético. Tenemos así los siguientes subtipos (Cuadro 1):

Cuadro 1. Clasificación del síndrome de QT largo.

Subtipo	Canal	Corriente	Gen	Proteína	Cromosoma locus
SQTL1*	I _{Ks}	K+	KCNQ1 (KvLQT1)	α	11p15.5
SQTL2	I _{Kr}	K+	HERG (KCNH2)	α	7q35-36
SQTL3	Nav 1.5	Na+	SCN5A	α	3p21-24
SQTL4		Na/Ca	ANKB	Ankirina B	4q25-27
SQTL5*	I _{Ks}	K+	KCNE1	β	21q22.1-22.2
SQTL6	I _{Kr}	K+	KCNE2	β	21q22.1-22.2
SQTL7**	Kir 2.1	K+	KCNJ2	α	17q23
SQTL8**	Cav1.2	Ca+	CACNA1C	α	12

* Las mutaciones homocigotas en los subtipos SQTL1 y SQTL5 generan el síndrome de Jervell-Lange-Nielsen que cursa con sordera congénita y alto riesgo de muerte súbita.

** Afección a otros órganos.

Síndrome de QT largo tipo 1 (SQTL1)

Es el subtipo más frecuente (30-35% de los casos). El gen afectado es el *KvLQT1* (o *KCNQ1*) localizado en el cromosoma 11 (11p15.5), el cual codifica la subunidad α del I_{Ks} de canal de potasio. Estos pacientes suelen presentar episodios de taquicardia helicoidal al realizar ejercicio o al estimular el simpático (62%).²⁸ La penetrancia en este subtipo es cercana a 60.4%, por lo que con frecuencia se observan portadores de la mutación con intervalo QTc dentro de límites normales. El potencial de acción se prolonga por una disminución de la corriente saliente de K+ durante fase 3.

Síndrome de QT largo tipo 2 (SQTL2)

El gen afectado es el *KCNH2* o *HERG* localizado en el cromosoma 7 (7q35-36), el cual codifica la subunidad α del canal de potasio I_{Kr} (25-30% de los casos). En estos pacientes las arritmias se presentan con mayor frecuencia en respuesta a estrés emocional o estímulos auditivos súbitos –p.e. reloj despertador– (43%) y con menos frecuencia al ejercicio (13%).²⁸ La penetrancia estimada es de 79.1%. Al igual que en el SQTL1, la disfunción de este canal, disminuye la corriente saliente de K+ durante la fase 3 del potencial de acción, prolongando así su duración.

Síndrome de QT largo tipo 3 (SQTL3)

El gen afectado es el *SCN5A*, que codifica para canal de sodio Nav1.5, localizado en el cromosoma 3 (3p21-24); es causante de la enfermedad en 5-10% de los casos. La inactivación defectuosa del canal, permite la entrada sostenida de Na+, durante la fase 2

del potencial de acción. Estos pacientes tienen un riesgo mayor de presentar arritmias malignas durante el reposo (sueño) o bradicardia.²⁹ La penetrancia de las mutaciones en este gen es cercana a 90%.

Síndrome de QT largo tipo 4 (SQTL4)

Es una variedad de SQTL extremadamente rara, el gen afectado es el *ANKB*, localizado en el cromosoma 4 (4q25-27), el cual codifica la síntesis de anquirina-β, perteneciente a una familia de proteínas estructurales de distribución ubicua, que vinculan proteínas membranales integrales con proteínas del citoesqueleto, entre otras, la bomba Na/K ATPasa, intercambiador Na/Ca y H/K ATPasa. Las mutaciones que causan pérdida de la función de anquirina-β, resultan en un incremento en la concentración de calcio intracelular, así como alteración en la expresión de N/K ATPasa e intercambiador Na/Ca; la conductancia a otros iones es afectada, favoreciendo no sólo la prolongación del intervalo QT, sino generando también despolarizaciones espontáneas. Se asocia con frecuencia a disfunción del nodo sinusal y bradicardia.³⁰⁻³² Explica menos de 1% de los casos.

Síndrome de QT largo tipo 5 (SQTL5)

Es condicionado por cambios de secuencia del gen *KCNE1* 33 localizado en el cromosoma 21 (21q22.1-p22), codifica la síntesis de la subunidad β del canal I_{K_s} conocida también como subunidad minK que regula al canal I_{K_s} . Explica menos de 1% de los casos.

Síndrome de QT largo tipo 6 (SQTL6)

El gen afectado es el *KCNE2*³⁴ localizado en el cromosoma 21 (21q22.1). Codifica la subunidad β del canal de potasio, conocida también como subunidad MiRP1 que regula al canal I_{Kr} . Explica menos de 1% de los casos.

MUTACIONES QUE ASOCIAN SQTL Y ENFERMEDAD SISTÉMICA

Síndrome de QT largo tipo 7 (SQTL7)

Es causado por mutaciones en el gen *KCNJ2* localizado en el cromosoma 17 (17q23) que codifica la síntesis del canal Kir 2.1; este canal participa en la fase 4 del potencial de acción. Su alteración da lugar al síndrome de Andersen, desorden autosómico dominante que se caracteriza por SQTL, parálisis periódica, desarrollo esquelético anormal, arritmias

ventriculares del tipo de la extrasistolia ventricular frecuente con susceptibilidad particular a presentar fibrilación ventricular, sobre todo en el sexo femenino. Su expresividad es variable, lo que complica el diagnóstico oportuno de la enfermedad.^{35,36} Explica menos de 0.5% de los casos.

Síndrome de QT largo tipo 8 (SQTL8)

Descrito recientemente, resulta de mutaciones en el gen que codifica el canal de calcio tipo L Cav1.2. Ocasiona el síndrome de Timothy,³⁷ caracterizado por malformaciones cardíacas, deficiencia inmunológica, hipoglucemia intermitente, trastornos cognitivos, incluso autismo; fusiones interdigitales y QT largo que predispone a arritmias cardíacas y muerte súbita.³⁸ Explica menos de 0.5% de los casos.

MUTACIONES COMPUESTAS

Hasta en 8% de los casos con SQTL se pueden encontrar variantes en más de un gen. El intervalo QTc en estos casos suele ser muy prolongado, la in-

Cuadro 2. Criterios diagnósticos en el síndrome de QT largo congénito.

Criterios	Puntos
Hallazgos electrocardiográficos	
QT corregido*	
> 480 ms	3
460-480	2
450-460	1
Taquicardia helicoidal φ	2
Alternancia en la onda T	1
Muescas en onda T en 3 derivaciones	1
Bradicardia para la edad ▷	0.5
Histórica clínica	
Síncope φ	
Con estrés	2
Sin estrés	1
Sordera congénita	0.5
Historia familiar Γ	
Familiares con diagnóstico de SQTL λ	1
Muerte súbita inexplicable antes de los 30 años en familiares cercanos	0.5

< 1 punto = baja probabilidad. 2.3 puntos = probabilidad intermedia.

> 4 puntos = alta probabilidad.

* Utilizando la fórmula de Bazett ($QTc = QT/vRR$), en ausencia de fármacos que prolongan QT.

φ Mutuamente excluyentes.

▷ Frecuencia cardíaca en reposo por debajo de la segunda centiles.

Γ El mismo familiar no debe ser contado dos veces.

λ El diagnóstico definitivo será con un puntaje > 4.

cidencia de arritmias es alta con importante riesgo de muerte súbita.³⁹

Mutaciones de la variedad Jervell Lange-Nielsen

Corresponde a mutaciones homocigotas o heterocigotas compuestas en los genes *KCNQ1* y/o *KCNE1* que codifican la corriente I_{Ks} . En forma característica, se asocia a sordera congénita; los pacientes suelen tener un QTc > 500 ms, síncope recurrente por taquicardia helicoidal y alto riesgo de muerte súbita. En el tipo homocigoto, los padres de los pacientes con esta variedad son heterocigotos para la misma mutación y manifiestan una enfermedad menos grave o incluso pueden ser asintomáticos.⁴⁰

De acuerdo con la clasificación anterior podemos concluir que los subtipos SQTL1, SQTL2 y SQTL3 son los más frecuentes y por lo tanto han sido mejor caracterizados clínicamente, con frecuencia nos referiremos a estas tres variantes exclusivamente.

Diagnóstico del SQTL

En 1993, Schwartz PJ, *et al.*, publicaron los criterios diagnósticos para el síndrome de QT largo⁴¹ (Cuadro 2), los cuales son vigentes aún hoy en día.

Características electrocardiográficas

Intervalo QT

Un estudio multicéntrico reciente expone que al interpretar un trazo electrocardiográfico < 40% de los médicos no cardiólogos, < 50% de los cardiólogos y > 80% de los arritmólogos, supieron medir correctamente este intervalo.⁴²

El intervalo QT se puede medir con mayor facilidad en las derivaciones II, V1, V3 o V5, pero se debe examinar el ECG de 12 derivaciones en busca del intervalo QT más largo (Figura 4).⁴³ Convencionalmente, se utiliza la fórmula de Bazzet para corregir

la duración del intervalo de acuerdo con la frecuencia cardiaca ($QTc = QT/\sqrt{RR}$, expresado en segundos). Un intervalo QTc ≥ 0.44 seg en los hombres y ≥ 0.46 seg en las mujeres, debe considerarse anormal. No se ha llegado a un consenso respecto al límite normal inferior de este intervalo, y no había sido motivo de preocupación hasta la descripción reciente del síndrome de QT corto⁴⁴ que también se asocia a muerte súbita.

Dispersión del intervalo QT

La dispersión del intervalo QT refleja las diferencias regionales en la repolarización ventricular. La repolarización en el corazón es normalmente heterogénea debido a la diferencia en la duración del potencial de acción en las diferentes regiones (ventrículo derecho *vs.* izquierdo o epicardio *vs.* endocardio). Estas variaciones están dadas por la irregular distribución de diversos canales iónicos.⁴⁵ La dispersión del intervalo QT es la variación del intervalo QT latido a latido, es más amplia cuando se comparan dos derivaciones que evalúan regiones diferentes y suele no variar significativamente en la misma derivación. La diferencia entre el QT máximo y mínimo se ha reportado en 48 ± 18 msec en sujetos normales; en pacientes con SQTL esta dispersión se encuentra incrementada y la magnitud de este incremento se ha relacionado con un riesgo mayor de presentar arritmias ventriculares malignas;⁴⁶ también es un parámetro de utilidad para valorar la eficacia terapéutica.^{47,48}

Anormalidades morfológicas en la onda T

Los pacientes con SQTL pueden presentar múltiples alteraciones en la onda T⁴⁹: alternancia en la polaridad, apariencia bifásica, variaciones en la amplitud, muescas, entre otras. Estas anormalidades pueden permitir sospechar el subtipo genético y detectar pacientes en riesgo. La *alternancia de la onda T* (Figura 5) se define como la variación latido

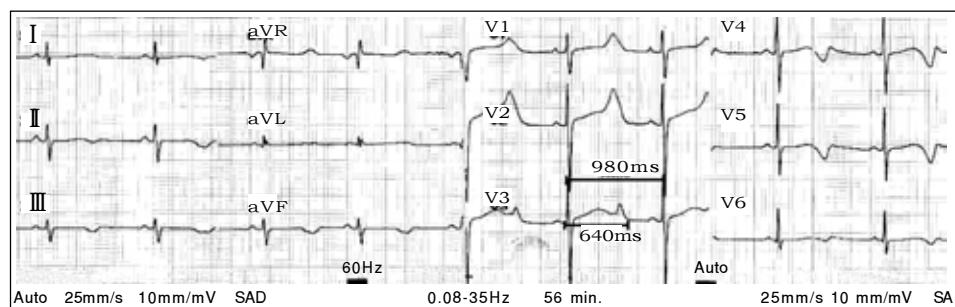


Figura 4. Electrocardiograma de 12 derivaciones de un paciente con síndrome de QT largo. QT medido = 640 ms, QT corregido = QT medido / \sqrt{RR} (cifras en seg) QTc = $0.64 / \sqrt{0.980}$, QTc = 650 ms.

a latido de la amplitud, morfología y polaridad de la onda T en ritmo sinusal, sin variaciones en el complejo QRS. Constituye un indicador de inestabilidad eléctrica,⁵⁰ refleja dispersión regional en la repolarización y en ocasiones precede a la fibrilación ventricular;⁵¹ puede ir acompañado de otros marcadores electrocardiográficos de alto riesgo como prolongación importante del QTc o bloqueo AV 2x1.

Bradicardia sinusal

Los pacientes con SQTL pueden cursar con signos de disfunción del nodo sinusal, bradicardia y/o pausas.⁵² Los subtipos SQTL1 y SQTL3, frecuentemente cursan con bradicardia sinusal,⁵³ mientras el



Figura 5. Alternancia eléctrica de la onda T en el síndrome de QT largo.

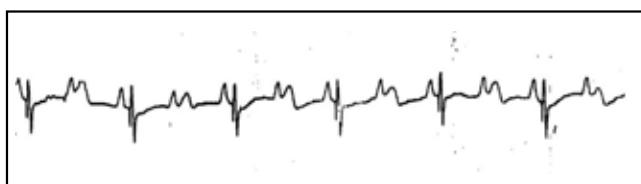


Figura 6. Bloqueo AV 2:1 en el síndrome de QT largo.

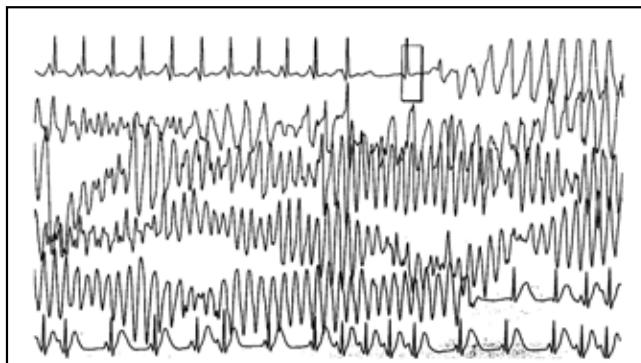


Figura 7. Episodio de taquicardia helicoidal autolimitada en un paciente con síndrome de QT largo.

SQTL4 ha sido asociado a disfunción del nodo sinusal.³²

Bloqueo AV 2x1

Desde los años 70-80's se observó la coexistencia de trastornos en la conducción aurículo-ventricular con el SQTL 54 (Figura 6). Es una manifestación infrecuente, pero de mal pronóstico, que puede presentarse desde la etapa fetal en forma de bradicardia persistente acompañada ocasionalmente de *hidrops fetalis*. La incidencia ha sido reportada entre 4 y 5%,⁵⁵ y se asocia a una alta mortalidad a pesar del tratamiento con betabloqueadores y/o marcapasos.^{56,57} Este fenómeno puede explicarse por la exagerada duración del potencial de acción. Al alargarse el período refractario ventricular, el siguiente impulso procedente de la actividad sinoauricular, es bloqueado por encontrar a los ventrículos aún en período refractario. Así pues, el bloqueo 2x1 no se debe a una anomalía intrínseca en la conducción AV, sino por una simple interferencia (bloqueo funcional). Esta alteración parece ser particular del SQTL, pues el período refractario ventricular es mayor que en el sistema de conducción AV.⁵⁸ Hasta el momento tres genes han sido asociados con este grave fenotipo: *HERG*, (SQTL2),^{59,60} *SCN5A* (SQTL3)⁶¹ y *CACNA1* (SQTL8).³⁷

Taquicardia helicoidal

Es la arritmia ventricular característica del SQTL, conocida también como "*torsade de pointes*"; se presenta cuando el intervalo QT se prolonga, independientemente de la etiología. Es una taquicardia ventricular polimórfica por reentrada, caracterizada electrocardiográficamente por un giro continuo del

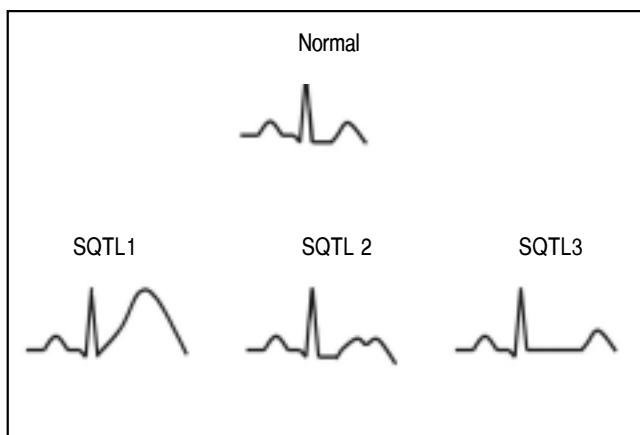


Figura 8. Representación esquemática de electrocardiograma generado por los tres principales subtipos de síndrome de QT largo.

eje del QRS sobre una línea imaginaria (Figura 7); suele ser precedida de una pausa seguida de una extrasístole –intervalo RR “corto-largo-corto”– como se muestra en la figura 7.⁶²⁻⁶⁴ Puede culminar en fibrilación ventricular y muerte súbita. Si esto no sucede el paciente puede experimentar sólo un síntope, o incluso, si el episodio es breve, puede pasar inadvertido. Esta arritmia se explica mediante el fenómeno de *dispersión de la refractariedad*, según esta hipótesis, los períodos refractarios alargados de manera desproporcionada en diversas regiones ventriculares podrían alterar el patrón de conducción de las despolarizaciones ventriculares prematuras, causando bloqueo unidireccional y conducción lenta, lo cual dará lugar a un mecanismo de reentrada ventricular.⁶⁵

Correlación genotipo-fenotipo en el ECG

Los diferentes genotipos pueden dar lugar a patrones electrocardiográficos característicos. Esto se ha evaluado en los subtipos más frecuentes, SQTL1, SQTL2 y SQTL3 (Figura 8). Los patrones son los siguientes:

- **SQTL1.** Onda T de base ancha, con duración muy prolongada.
- **SQTL2.** Onda T de baja amplitud, bífida, con muescas.
- **SQTL 3.** Onda T acuminada, de aparición tardía que deja observar con claridad el alargamiento del segmento ST.⁶⁶

Diagnóstico prenatal de SQTL

La bradicardia fetal puede ser una de las primeras manifestaciones clínicas en el SQTL. En series retrospectivas, se ha documentado que hasta 70% de los pacientes diagnosticados en la infancia, tienen este antecedente, mismo que suele ir acompañado de *hidrops fetalis*.⁶⁷ Mosaicismos para SQTL se han asociado a pérdidas fetales recurrentes durante el tercer trimestre del embarazo.⁶⁸ Si la sospecha de la enfermedad es muy alta, la amniocentesis a partir de las 16 semanas de gestación puede ser de utilidad para el diagnóstico, que resulta sencillo cuando alguno de los padres es conocido como portador de una mutación determinada.⁶⁹

Prolongación del intervalo QT y taquicardia helicoidal inducida por fármacos

La taquicardia helicoidal secundaria a fármacos no antiarrítmicos es un evento raro; se estima que ocu-

Cuadro 3. Fármacos que prolongan intervalo QT.

Fármacos de aplicación cardiológica:

Sotalol, amiodarona, disopiramida, dobutamina, dopamina, flecainida, ibutilide, efedrina, norepinefrina, quinidina, amirina, mirinona.

Fármacos de aplicación neuropsiquiátrica:

Amitriptilina, hidrato de cloral, citalopram, clorpromazina, doxepina, droperidol, fluoxetina, haloperidol, imipramina, litio, metadona, metifenidato, paroxetina, otanzapina, risperidona, tioridazina, ketanserina.

Fármacos de aplicación gastroenterológica:

Cisaprida, domperidona, octreótida, ondansetrón, sibutamina, droperidol.

Fármacos de aplicación neumológica:

Salbutamol, salmeterol, terbutalina

Fármacos antimicrobianos:

Azitromicina, ciprofloxacina, claritromicina, eritromicina, clindamicina, levofloxacina, moxifloxacina, ofloxacina, trimetropim-sulfametoaxazol.

Fármacos antivirales:

Amantadina, foscarnet.

Fármacos antiparasitarios:

Cloroquina, mefloquina, pentamidina.

Fármacos antifúngicos:

Fluconazol, itraconazol, ketoconazol, voriconazol.

Otros fármacos:

Fenilefrina, pseudoefedrina, fenilpropanolamina, tacrolimus, tamoxifeno, vardenafil, astemizol.

rre menos de un caso por cada 10,000-100,000 expuestos. Considerando que los estudios clínicos incluyen entre 2,000 y 3,000 sujetos, es fácil que este indeseable y fatal efecto secundario escape a la detección como un efecto adverso en la fase clínica del desarrollo de fármacos.⁷⁰ Este punto ha generado enorme interés en lo que se refiere a aspectos de seguridad en el estudio y generación de nuevas drogas.

En los últimos años se ha hecho evidente que existen gran variedad de fármacos utilizados en diversas especialidades médicas que pueden ocasionar el alargamiento del intervalo QT en forma iatrogénica. Incluso, algunos medicamentos han sido retirados del mercado en diferentes países por este indeseable efecto (p.ej. astemizol, cisaprida, entre otros). En el cuadro 3 se señalan algunos fármacos de uso frecuente que han sido asociados a prolonga-

Cuadro 4. Susceptibilidad individual para desarrollar taquicardia helicoidal por fármacos.

- Sexo femenino
- Bradicardia
- Trastornos hidroelectrolíticos (hipokalemia, hipocalcemia e hipomagnesemia)
- Enfermedad cardíaca (insuficiencia cardíaca, miocardiopatía hipertrófica, cardiopatía isquémica)
- Tratamiento concomitante con fármacos antiarrítmicos o que prolonguen QT
- Infusión intravenosa rápida del fármaco
- Altas concentraciones séricas del fármaco
- Polimorfismos predisponentes
- Mutaciones en canales iónicos que prolongan QT

ción del intervalo QT y taquicardia helicoidal.^{71,72} La lista continúa creciendo (para mayores detalles consultar el siguiente portal de internet: www.qtdrugs.org). Los factores relacionados con la susceptibilidad individual se ilustran en el cuadro 4.

El canal que por excelencia interacciona con fármacos es el I_{Kr} , codificado por el gen *KCNH2* (*HERG*). Esto se debe a la estructura molecular de este canal. La mayoría de los canales que transportan el ión K+ tienen en el S6 de la α hélice dos residuos prolina que se inclinan en forma angulada hacia el poro del canal, disminuyendo su lumen, pero I_{Kr} carece de ellos, lo que hace que esta región del poro sea más amplia, facilitando su exposición a grandes moléculas. Por el contrario, tiene dos residuos aromáticos (tirosina y fenilalanina) que facilitan enlaces con moléculas aromáticas presentes en diversos fármacos capaces de bloquear el canal.⁷³

Como mencionamos anteriormente, el SQTL tiene penetrancia incompleta, existen portadores asintomáticos de mutaciones que pueden manifestar arritmias malignas al recibir alguno de estos fármacos. Por otro lado, polimorfismos considerados frecuentes en la población, confieren susceptibilidad individual a desarrollar taquicardia helicoidal con el uso de fármacos, como sucede con el polimorfismo R1047L, el segundo más frecuentemente observado en *KCNH2* (*HERG*) y que se ha asociado a taquicardia helicoidal con el uso de la droga dofetilide.⁷⁴ Se han descrito por lo menos 20 polimorfismos en sujetos sanos en el gen *KCNH2* o *HERG* y aún se ignora si confieren susceptibilidad individual a desarrollar taquicardia helicoidal relacionada con fármacos.⁷⁵ En el canal de sodio Nav1.5, también se han documentado polimorfismos que pueden conferir susceptibilidad a desarrollar arritmias ventriculares, como sucede con el polimorfismo H558R, que se presenta en cerca de 10-20% de

la población; o el S1103Y, frecuente en afroamericanos⁷⁶⁻⁸⁰ y cuya implicación en la susceptibilidad a determinadas drogas no ha sido explorada.

Abordaje Inicial en el SQTL

Todo paciente que se encuentra en valoración por síntope o crisis convulsivas debe someterse a una meticulosa evaluación del intervalo QT. Una vez que se detecta un caso con SQTL, será necesario determinar el riesgo de muerte súbita del caso en particular, los siguientes elementos serán de utilidad para la estratificación del riesgo.

Historia clínica

Es crucial determinar si existen antecedentes familiares y/o personales de muerte súbita, así como el contexto del evento, que, como revisamos anteriormente, puede sugerirnos el subtipo de SQTL. Todos aquellos enfermos con antecedentes familiares de muerte súbita, tienen mayor probabilidad de presentar arritmias ventriculares malignas. Es importante descartar el uso de fármacos que pudieran prologar el QT y dar así “falsos positivos” en la evaluación electrocardiográfica inicial.

Holter

El monitoreo Holter permite una valoración amplia y dinámica del intervalo QT; en ocasiones, pueden registrarse episodios espontáneos de taquicardia helicoidal asintomática y los factores precipitantes de ésta, así como posibles episodios de bloqueos AV.

Prueba de esfuerzo

Los pacientes con SQTL no suelen alcanzar la frecuencia máxima esperada calculada para la edad, así mismo, el intervalo QT al esfuerzo puede tener un comportamiento paradójico, alargándose en lugar de acortarse.^{81,82} El comportamiento electrocardiográfico durante la prueba de esfuerzo, será diferente según el subtipo SQTL. Los pacientes con SQTL1 además de no llegar a la frecuencia cardiaca máxima calculada para la edad, frecuentemente alargan el intervalo QT, mientras que aquellos con SQTL2, suelen alcanzar la frecuencia cardiaca esperada, y prolongar sólo discretamente el intervalo QT, o incluso no prologarlo.^{83,84} Los pacientes con SQTL3 normalmente tienen una respuesta fisiológica al ejercicio, esto es, acortamiento normal del intervalo QT.⁸⁵ Este estudio también puede ser útil para valo-

rar la respuesta al tratamiento y estratificar el riesgo en los casos asintomáticos o en quienes queda duda de los factores precipitantes de las arritmias.

Estudio genético

El diagnóstico genético-molecular es una herramienta extremadamente útil en el manejo de los pacientes con SQTL.⁸⁶ Su principal aplicación será el consejo genético, pero también permite orientar el tratamiento y es útil en la evaluación del pronóstico. Si bien se utiliza cada vez con mayor frecuencia, en la gran mayoría de los países aún se limita a hospitales que cuentan con laboratorios de investigación. Con los conocimientos actuales, la probabilidad de diagnosticar genéticamente a un paciente determinado es de 70-75%, en 25-30% no es posible documentar mutaciones en los genes descritos a la fecha,^{13,87} esto tiene varias explicaciones:

1. Otros genes, no descritos aún, pudieran estar asociados a la enfermedad. Los canales funcionan en complejos macromoleculares, diversas proteínas son cruciales en su funcionamiento y el trastorno puede encontrarse no en el canal en sí, sino en las proteínas que interactúan con él, como ya se demostró con las mutaciones en Ankirina β y las subunidades auxiliares β de los canales de potasio I_{Kr} e I_{Ks} .
2. El problema puede radicar en el procesamiento del ARNm, no detectable en el análisis convencional de ADN extraído de linfocitos.
3. Se han reportado mutaciones intrónicas asociadas a SQTL, en el estudio rutinario no se analizan estas regiones.⁸⁸
4. Algunos mosaicismos para SQTL pueden no ser detectados en el estudio de ADN extraído de linfocitos.⁶⁸

El SQTL es una enfermedad de presentación principalmente monogénica,⁸⁹ las variedades poligénicas o compuestas pueden dar un fenotipo más grave. La penetrancia es muy variable, oscilando entre 25 y 90%.⁹⁰ Hasta 32% de los portadores de la mutación pueden cursar con un QTc normal. Estos portadores asintomáticos tienen un riesgo de 50% de transmitir la mutación a su descendencia y son más susceptibles a desarrollar arritmias malignas, comparados con el resto de la población. De hecho, 20% de estos casos pueden volverse sintomáticos a pesar de tener un QTc dentro de los límites normales. Las manifestaciones de la enfermedad son variables, pues una misma mutación puede dar fenotipos diferentes o

bien características combinadas, como serían el bloqueo AV y la prolongación del intervalo QT; o bien trastornos de la conducción intraventricular y QT largo. Es un padecimiento con gran heterogeneidad genética, pues hasta ahora ocho genes distintos pueden dar el mismo fenotipo (prolongación del intervalo QT), y las mutaciones en estos genes han explicado sólo 70-75% del total de los casos. A pesar de que el fenotipo final, esto es, prolongación del intervalo QT es igual para todas las mutaciones; la fisiopatología molecular es diferente y esto determina el curso clínico, es razonable entonces otorgar tratamiento dirigido al subtipo molecular.⁹¹ Por ejemplo: se ha documentado que pacientes con mutaciones en el poro del canal I_{Kr} codificado por HERG, tienen peor pronóstico, comparado con aquellos que tienen mutaciones en otros sitios del canal.⁹² Asimismo, los pacientes diagnosticados con SQTL3 pueden mejorar significativamente al recibir tratamiento con mexiletina⁹³ (ver más adelante).

Reto farmacológico con adrenalina (epinefrina)

Algunos grupos han empleado el reto farmacológico con adrenalina para desenmascarar los casos sospechosos de SQTL con un QTc limítrofe. Este método ha sido particularmente útil en los subtipos SQTL1 y SQTL2, que suelen presentar una respuesta paradójica a la administración de dosis bajas de adrenalina (0.025-0.2 μ g/kg/min), manifestando un alargamiento del intervalo QTc, cuando la respuesta normal es un acortamiento de dicho intervalo.⁹⁴⁻⁹⁶

Estudio electrofisiológico

No existe indicación de estudio electrofisiológico en pacientes con SQTL, a menos que se sospeche la presencia de alguna otra arritmia o bien como parte del protocolo de implante de desfibrilador.

Estratificación de riesgo

La evolución de los casos con SQTL es muy variable, siendo influenciada por la duración del intervalo QTc, factores ambientales, edad, genotipo y respuesta al tratamiento.⁹⁷ Se sabe que el riesgo de presentar eventos cardíacos es mayor en hombres antes de la pubertad y en mujeres en la vida adulta.⁹⁸ Asimismo, las arritmias ventriculares son más frecuentes en SQTL1 y SQTL2, pero son más letales en SQTL3.⁹⁹ Las mujeres en posparto son particu-

larmente susceptibles a arritmias malignas.¹⁰⁰ Por otro lado, como ya mencionamos, las mutaciones en el poro del canal codificado por HERG, determinan presentaciones más graves de la enfermedad.

Riesgo alto

En términos generales, debe considerarse de alto riesgo aquellos casos de SQTL asociado a:

1. Sordera congénita (síndrome de Jervell-Lange-Nielsen).
2. Síncope recurrente por taquiarritmias ventriculares malignas.
 - a) Antecedentes familiares de muerte súbita.
 - b) QTc > 500 ms.
3. Bloqueo AV 2x1.
4. Alternancia eléctrica en la onda T.

Los estudios realizados por Priori, *et al.*, en 647 pacientes, mostraron que la probabilidad de presentar un evento mayor (síncope, paro cardíaco, muerte súbita) antes de los 40 años es alto (> 50%) cuando el QTc > 500 msec en SQTL1, SQTL2 o bien en el sexo masculino cuando existe SQTL3.⁹⁷

Riesgo intermedio

La posibilidad de presentar un evento mayor es intermedio (30-49%) cuando QTc < 500 msec en mujeres con SQTL2, en SQTL3, o bien en mujeres con SQTL3 y QTc > 500 msec.

Riesgo bajo

La posibilidad de presentar un evento mayor es bajo (< 30%) en aquellos pacientes con QTc < 500 msec en hombres con SQTL2 y SQTL1. Los pacientes asintomáticos con intervalo QTc prolongado y sin historia familiar de muerte súbita tienen una baja incidencia de crisis de taquiarritmias, así como aquellos con QTc prolongado intermitente o límitrofe.

Dada su baja incidencia, no hay estudios que permitan clasificar el riesgo en los otros subtipos de SQTL.

Síndrome de QT largo y embarazo

Durante el embarazo existen cambios fisiológicos importantes que pueden favorecer arritmias, sobre todo durante el parto: ajustes hormonales, en particular incremento en hormonas tiroideas, cambios en el tono autonómico, hipokalemia, entre otras. Las pa-

cientes portadoras de SQTL son más susceptibles a arritmias malignas en el periodo posparto, por lo que la vigilancia estrecha en este periodo es importante.¹⁰¹ El SQTL2 (*KCNH2* o *HERG*) es el que con mayor frecuencia presenta arritmias durante el posparto.¹⁰⁰

Estrategias terapéuticas en el SQTL

Los pacientes que no reciben tratamiento tienen una mortalidad de 20% al año y de 50% a 10 años después de un primer evento de arritmia ventricular. En la actualidad el tratamiento de elección depende del subtipo de SQTL y de los síntomas del paciente. La restricción en el ejercicio será siempre recomendable, sobre todo en los casos de riesgo moderado a alto.

FÁRMACOS

Betabloqueadores

Los betabloqueadores son eficaces, en particular, en pacientes con mutaciones en canal de potasio (SQTL1, SQTL2, SQTL5 y SQTL6). Los resultados son mejores en aquellos pacientes con mutaciones en I_{K_s} (SQTL1, SQTL5)¹⁰² que, como se describió anteriormente, es regulado por el sistema simpático. Los betabloqueadores no modifican el intervalo QT, pero son útiles en prevenir las arritmias ventriculares. En pacientes con SQTL3, no han mostrado beneficio importante y de hecho, deberán usarse con cautela, pues los episodios de arritmia ventricular en este subtipo son más comunes a frecuencias cardíacas bajas. De preferencia, los pacientes con SQTL3 deberán contar con un marcapaso antes del inicio del tratamiento. Se ha demostrado que si bien los betabloqueadores disminuyen la incidencia de eventos cardiovasculares,¹⁰³ no garantizan protección contra la muerte súbita; a pesar del tratamiento, 19% de los pacientes con SQTL1, y 41% con SQTL2, tendrán recurrencia de los síntomas.^{104,105}

Para establecer la dosis adecuada, es útil la prueba de esfuerzo. La frecuencia cardíaca máxima no debe superar los 130 lpm, bajo tratamiento.

Bloqueadores de canales de sodio

Dado que las mutaciones en el canal de sodio que ocasionan el SQTL3 se deben a una inactivación defectuosa del canal, se han utilizado bloqueadores de canales de sodio en pacientes con diagnóstico genéti-

co concluyente. Estudios realizados con flecainida muestran que mejora la frecuencia cardíaca, las alteraciones en la onda T y el intervalo QT.¹⁰⁶ La mexiletina también ha mostrado mejorar los marcadores electrocardiográficos de riesgo.^{85,107,108} Si bien los resultados son alentadores, hay que considerar que no existe un seguimiento a largo plazo que evalúe la evolución de los enfermos tratados con estos fármacos, ni se han utilizado en un número importante de pacientes. No se deben administrar si no existe una certeza en el diagnóstico genético y su administración inicial debe ser monitorizada en forma intrahospitalaria.

Potasio suplementario y fármacos que facilitan su disponibilidad

En aquellos enfermos con afección en canales de potasio, el suplemento de potasio y/o la utilización de fármacos ahorradores de potasio como espironolactona, pueden disminuir el intervalo QTc hasta en 24%.^{109,110} Los fármacos que abren los canales de potasio como apricalium, leveromakalium, nicorandil y pinacidil, han mostrado ser útiles,¹¹¹ pero aún no se encuentran disponibles en nuestro medio.

Marcapaso

La implantación de un marcapasos está indicado en todos aquellos pacientes en los que se documente o se sospeche arritmia dependiente de pausa.¹¹² Los pacientes con SQTL3 suelen beneficiarse más de esta terapéutica, pues la prevalencia de bradicardia es mayor. En el SQTL2 los eventos cardiovasculares pueden presentarse durante la noche, por lo que también se consideran candidatos. Si bien en el SQTL1 el tratamiento angular son los betabloqueadores, algunos casos pueden beneficiarse con el implante de un marcapasos. La programación adecuada del dispositivo es de crucial importancia:

Frecuencia cardíaca

Está demostrado que frecuencias programadas por debajo de 70 no son útiles para prevenir arritmias ventriculares.¹¹³ En adultos se recomienda programar una FC promedio de 80 lpm, aunque no deberá exceder los 90 lpm en reposo.

Modalidad de estimulación

La estimulación debe ser DDD en los pacientes que presenten taquicardia helicoidal dependiente de pausa, también será la modalidad de elección en los casos con bloqueo AV 2x1 o de alto grado.

Sensor

Se recomienda programar el sensor a una respuesta rápida, pues estos pacientes suelen tener una aceleración inapropiada de la frecuencia cardíaca en respuesta al ejercicio.

Otras funciones

Todas aquellas funciones que impliquen la presencia de pausas, deben ser apagadas. Se debe apagar la histéresis, la función nocturna (disminución de frecuencia cardíaca durante el sueño) y el alargamiento del PVARP seguido de extrasístole ventricular, pues si bien previene la existencia de taquicardia en asa, da lugar a pausas. Si existe la función de regulación de frecuencia (rate-smoothing), debe ser encendida para prevenir pausa postextrasistólica. Hay que evitar el sobresensado de la onda T o fallas en la captura, que pueden dar lugar a pausas.

Desfibrilador

El desfibrilador (DAI) es recomendable en aquellos pacientes catalogados como de alto riesgo de muerte súbita. En este grupo de enfermos, el desfibrilador aunado a terapia con betabloqueador, disminuye en forma importante la incidencia de muerte súbita.¹¹⁴⁻¹¹⁶ La programación del dispositivo variará según las necesidades del caso, pero se sugiere prestar atención a los siguientes aspectos:

Rango de detección

Es importante definir a qué frecuencia ventricular el aparato deberá administrar una descarga, el rango de detección debe ser lo suficientemente bajo para no omitir tratamientos sin generar terapias inapropiadas. Se ha sugerido que en estos casos, una frecuencia de detección a 180 lpm (zona de TV) con un prolongado tiempo de detección de la arritmia, evitara eventos de arritmia ventricular no tratados. Para frecuencias mayores de 210 lpm (zona de FV), se puede disminuir el tiempo de detección.¹¹⁴

Tormenta arrítmica

Cerca de 15% de los pacientes pueden presentar tormenta arrítmica por el incremento del tono simpático después de la descarga del DAI; este problema puede manejarse inicialmente incrementando la terapia con betabloqueadores y con terapia antibradicardia con el marcapasos; en los casos graves que no responden a estas medidas, se debe considerar realizar resección de la cadena ganglionar simpática, como se describirá más adelante.

Terapias inapropiadas

Se ha observado que frecuentemente los pacientes con SQTL presentan terapias inapropiadas en respuesta a taquicardia sinusal o arritmias auriculares. El tratamiento con betabloqueadores ayudará a disminuir estos episodios. Por otro lado, hay que evitar dar terapia eléctrica a los episodios breves de arritmia ventricular, especialmente en pacientes con múltiples episodios de corta duración y pocos síntomas; la prolongación de los tiempos de detección de la arritmia disminuirá el número de descargas.

Simpatectomía izquierda

Desde 1971, se introdujo la gangliectomía simpática como opción terapéutica útil en estos pacientes.¹¹⁷ En 1991, Schwartz publicó la primera serie de 85 casos con pobre respuesta al tratamiento betabloqueador, en los que se realizó estelectomía izquierda con resultados alentadores, pues se logró una sobrevida a cinco años de 94%.¹¹⁸ Actualmente se ofrece esta opción terapéutica a pacientes de alto riesgo, cuando a pesar del tratamiento con betabloqueador y/o marcapaso el paciente persiste con síncope, o bien si una vez implantado el desfibrilador, existen descargas frecuentes.

El procedimiento consiste en realizar la resección de la porción inferior del ganglio estrellado y de las cadenas ganglionares torácicas simpáticas izquierdas T2 a T4, ya que la simple estelectomía izquierda ha mostrado no ser suficientemente efectiva. Se ha utilizado la toracoscopia microinvasiva con buenos resultados.^{119,120} Recientemente se publicó la serie más importante de pacientes tratados con este método, la cual mostró una reducción significativa en los episodios de síncope o muerte súbita, así como con una sobrevida a cinco años de 95%. En pacientes con síncope previo, la sobrevida a cinco años fue de 97% con 11% de posibilidades de recurrencia, los cuales fueron en la mayoría un solo evento sincopal aislado. Asimismo, se encontró una reducción significativa del segmento QT posterior a la simpatectomía izquierda. A pesar de los buenos resultados, la prevención de muerte súbita no es completa, pero se logra reducir a 3%. En pacientes portadores de un desfibrilador automático implantable en los que se realizó la cirugía por la presencia de múltiples descargas, la media de eventos fue de 25 a 0 con una reducción de 95%. En el SQTL1, se confirmó el efecto benéfico. Probablemente el beneficio sea menor en pacientes con SQTL2. Hasta ahora no se ha logrado establecer su efectividad para el SQTL3.¹²¹

Ablación

Se ha reportado que es posible realizar ablación de la extrasístole que en algunos casos inicia la arritmia ventricular, con mejoría en la incidencia de episodios de taquicardia helicoidal.¹²² Sin embargo, no existen estudios a largo plazo ni con un número de pacientes apropiado que justifique utilizar esta técnica en forma rutinaria. Probablemente sea de utilidad como parte del tratamiento en algunos casos en particular, como en pacientes con tormenta arrítmica y descargas frecuentes del desfibrilador.

Autopsia molecular

Se propone como alternativa en los casos con muerte súbita en quienes la autopsia no explica en forma clara la causa de muerte.¹²³ El estudio genético posmortem se ha utilizado con anterioridad y en forma interesante se han encontrado mutaciones que condicionan SQTL en porcentajes variables.^{124,125} Este tipo de estudios, además de poder tener repercusiones legales, tiene implicaciones en el consejo genético a los familiares de los casos que pudieran estar afectados sin saberlo.

Por medio de la autopsia molecular se ha podido concluir que las canalopatías arritmogénicas pueden ser otra causa más de la "muerte de cuna"; en 5-10% de los casos se han encontrado mutaciones en los genes relacionados sólo al SQTL,¹²⁶ sin mencionar otras canalopatías.

AGRADECIMIENTOS

La Dra. Medeiros recibe apoyo económico de CONACyT y FUNSALUD.

REFERENCIAS

1. Wever EF, Robles de Medina EO. Sudden death in patients without structural heart disease. *J Am Coll Cardiol* 2004; 43: 1137-44.
2. Zipes DP, Wellens HJ. Sudden cardiac death. *Circulation* 1998; 98: 2334-51.
3. Chugh SS, Kelly KL, Titus JL. Sudden cardiac death with apparently normal heart. *Circulation*. 2000; 102: 649-54.
4. Puranik R, Chow CK, Duflou JA, Kilborn MJ, McGuire MA. Sudden death in the young. *Heart Rhythm*. 2005; 2: 1277-82.
5. Nerbonne JM, Kass RS. Molecular physiology of cardiac repolarization. *Physiol Rev* 2005; 85: 1205-53.
6. Herrlin KMMT. A case of cardiac syncope. *Acta Paediatrica* 1953; 391.
7. Curran ME, Splawski I, Timothy KW, Vincent GM, Green ED, Keating MT. A molecular basis for cardiac arrhythmia: HERG mutations cause long QT syndrome. *Cell*. 1995; 80: 795-803.
8. Wang Q, Shen J, Li Z, et al. Cardiac sodium channel mutations in patients with long QT syndrome, an inherited cardiac arrhythmia. *Hum Mol Genet* 1995; 4: 1603-7.

9. Beccaria E, Brun S, Gaita F, Giustetto C, Conti M. Torsade de pointes during an atropine sulfate test in a patient with congenital long QT syndrome. *Cardiología* 1989; 34: 1039-43.
10. Jervell A, Lange-Nielsen F. Congenital deaf-mutism, functional heart disease with prolongation of the Q-T interval and sudden death. *Am Heart J* 1957; 54: 59-68.
11. Romano C, Gemme G, Pongiglione R. Rare cardiac arrhythmias of the pediatric age. I. Repetitive Paroxysmal Tachycardia. *Minerva Pediatr* 1963; 15: 1155-64.
12. Wang Q, Shen J, Splawski I, et al. SCN5A mutations associated with an inherited cardiac arrhythmia, long QT syndrome. *Cell* 1995; 80: 805-11.
13. Napolitano C, Priori SG, Schwartz PJ, et al. Genetic testing in the long QT syndrome: development and validation of an efficient approach to genotyping in clinical practice. *JAMA* 2005; 294: 2975-80.
14. Nerbonne JM. Molecular basis of functional voltage-gated K⁺ channel diversity in the mammalian myocardium. *J Physiol* 2000; 525 Pt 2: 285-98.
15. Crozier IG, Loughnan A, Dow LJ, Low CJ, Ikram H. Congenital long QT syndrome in adults. *N Z Med J* 1989; 102: 340-1.
16. McCrossan ZA, Abbott GW. The MinK-related peptides. *Neuropharmacology* 2004; 47: 787-821.
17. Abbott GW, Goldstein SA. Potassium channel subunits encoded by the KCNE gene family: physiology and pathophysiology of the MinK-related peptides (MiRPs). *Mol Interv* 2001; 1: 95-107.
18. Marx SO, Kurokawa J, Reiken S, et al. Requirement of a macromolecular signaling complex for beta adrenergic receptor modulation of the KCNQ1-KCNE1 potassium channel. *Science* 2002; 295: 496-9.
19. Schwartz PJ. Another role for the sympathetic nervous system in the long QT syndrome? *J Cardiovasc Electrophysiol* 2001; 12: 500-2.
20. Goldin AL, Barchi RL, Caldwell JH, et al. Nomenclature of voltage-gated sodium channels. *Neuron* 2000; 28: 365-8.
21. Gellens ME, George AL, Jr., Chen LQ, et al. Primary structure and functional expression of the human cardiac tetrodotoxin-insensitive voltage-dependent sodium channel. *Proc Natl Acad Sci USA* 1992; 89: 554-8.
22. Ko SH, Lenkowski PW, Lee HC, Mounsey JP, Patel MK. Modulation of Na(v)1.5 by beta1— and beta3-subunit co-expression in mammalian cells. *Pflugers Arch* 2005; 449: 403-12.
23. Maier SK, Westenbroek RE, McCormick KA, Curtis R, Scheuer T, Catterall WA. Distinct subcellular localization of different sodium channel alpha and beta subunits in single ventricular myocytes from mouse heart. *Circulation* 2004; 109: 1421-7.
24. Wollner DA, Messner DJ, Catterall WA. Beta 2 subunits of sodium channels from vertebrate brain. Studies with subunit-specific antibodies. *J Biol Chem* 1987; 262: 14709-15.
25. Isom LL, Ragsdale DS, De Jongh KS, et al. Structure and function of the beta 2 subunit of brain sodium channels, a transmembrane glycoprotein with a CAM motif. *Cell* 1995; 83: 433-42.
26. Morgan K, Stevens EB, Shah B, et al. Beta 3: an additional auxiliary subunit of the voltage-sensitive sodium channel that modulates channel gating with distinct kinetics. *Proc Natl Acad Sci USA* 2000; 97: 2308-13.
27. Yu FH, Westenbroek RE, Silos-Santiago I, et al. Sodium channel beta4, a new disulfide-linked auxiliary subunit with similarity to beta2. *J Neurosci* 2003; 23: 7577-85.
28. Schwartz PJ, Priori SG, Spazzolini C, et al. Genotype-phenotype correlation in the long-QT syndrome: gene-specific triggers for life-threatening arrhythmias. *Circulation* 2001; 103: 89-95.
29. Beaufort-Krol GC, van den Berg MP, Wilde AA, et al. Developmental aspects of long QT syndrome type 3 and Brugada syndrome on the basis of a single SCN5A mutation in childhood. *J Am Coll Cardiol* 2005; 46: 331-7.
30. Mohler PJ, Schott JJ, Gramolini AO, et al. Ankyrin-B mutation causes type 4 long-QT cardiac arrhythmia and sudden cardiac death. *Nature* 2003; 421: 634-9.
31. Mohler PJ, Bennett V. Ankyrin-based cardiac arrhythmias: a new class of channelopathies due to loss of cellular targeting. *Curr Opin Cardiol* 2005; 20: 189-93.
32. Mohler PJ, Splawski I, Napolitano C, et al. A cardiac arrhythmia syndrome caused by loss of ankyrin-B function. *Proc Natl Acad Sci USA* 2004; 101: 9137-42.
33. Splawski I, Tristani-Firouzi M, Lehmann MH, Sanguineti MC, Keating MT. Mutations in the hminK gene cause long QT syndrome and suppress IKs function. *Nat Genet* 1997; 17: 338-40.
34. Abbott GW, Sesti F, Splawski I, et al. MiRP1 forms IKr potassium channels with HERG and is associated with cardiac arrhythmia. *Cell* 1999; 97: 175-87.
35. Plaster NM, Tawil R, Tristani-Firouzi M, et al. Mutations in Kir2.1 cause the developmental and episodic electrical phenotypes of Andersen's syndrome. *Cell* 2001; 105: 511-19.
36. Yoon G, Oberoi S, Tristani-Firouzi M, et al. Andersen-Tawil syndrome: Prospective cohort analysis and expansion of the phenotype. *Am J Med Genet A* 2006; 140: 312-21.
37. Splawski I, Timothy KW, Sharpe LM, et al. Ca(V)1.2 calcium channel dysfunction causes a multisystem disorder including arrhythmia and autism. *Cell* 2004; 119: 19-31.
38. Splawski I, Timothy KW, Decher N, et al. Severe arrhythmia disorder caused by cardiac L-type calcium channel mutations. *Proc Natl Acad Sci USA* 2005; 102: 8089-96; discussion 8086-8.
39. Westenskow P, Splawski I, Timothy KW, Keating MT, Sanguineti MC. Compound mutations: a common cause of severe long-QT syndrome. *Circulation* 2004; 109: 1834-41.
40. Schwartz PJ, Spazzolini C, Crotti L, et al. The Jervell and Lange-Nielsen Syndrome. Natural History, Molecular Basis, and Clinical Outcome. *Circulation* 2006.
41. Schwartz PJ, Moss AJ, Vincent GM, Crampton RS. Diagnostic criteria for the long QT syndrome. An update. *Circulation* 1993; 88: 782-4.
42. Viskin S, Rosovski U, Sands AJ, et al. Inaccurate electrocardiographic interpretation of long QT: the majority of physicians cannot recognize a long QT when they see one. *Heart Rhythm* 2005; 2: 569-74.
43. Cowan JC, Yusoff K, Moore M, et al. Importance of lead selection in QT interval measurement. *Am J Cardiol* 1988; 61: 83-7.
44. Brugada RHK, Dumaine R, Cordeiro J, Gaita F, Borggrefe M, Menendez TM, et al. Sudden death associated with short-QT syndrome linked to mutations in HERG. *Circulation* 2004; 109: 30-35.
45. Antzelevitch C, Belardinelli L. The role of sodium channel current in modulating transmural dispersion of repolarization and arrhythmogenesis. *J Cardiovasc Electrophysiol* 2006; 17 (Suppl. 1): S79-S85.
46. Yamaguchi M, Shimizu M, Ino H, et al. T wave peak-to-end interval and QT dispersion in acquired long QT syndrome: a new index for arrhythmogenicity. *Clin Sci (Lond)* 2003; 105: 671-6.
47. Priori SG, Napolitano C, Diehl L, Schwartz PJ. Dispersion of the QT interval. A marker of therapeutic efficacy in the idiopathic long QT syndrome. *Circulation* 1994; 89: 1681-9.
48. Napolitano C, Priori SG, Schwartz PJ. Significance of QT dispersion in the long QT syndrome. *Prog Cardiovasc Dis* 2000; 42: 345-50.
49. Perkiomaki JS, Zareba W, Nomura A, Andrews M, Kaufman ES, Moss AJ. Repolarization dynamics in patients with long QT syndrome. *J Cardiovasc Electrophysiol* 2002; 13: 651-6.

50. Zareba W, Moss AJ, le Cessie S, Hall WJ. T wave alternans in idiopathic long QT syndrome. *J Am Coll Cardiol* 1994; 23: 1541-6.
51. Narayan SM. T-wave alternans and the susceptibility to ventricular arrhythmias. *J Am Coll Cardiol* 2006; 47: 269-81.
52. Beinder E, Grancay T, Menendez T, Singer H, Hofbeck M. Fetal sinus bradycardia and the long QT syndrome. *Am J Obstet Gynecol* 2001; 185: 743-7.
53. Lupoglazoff JM, Denjoy I, Villain E, et al. Long QT syndrome in neonates: conduction disorders associated with HERG mutations and sinus bradycardia with KCNQ1 mutations. *J Am Coll Cardiol* 2004; 43: 826-30.
54. Scott WA, Dick M, 2nd. Two:one atrioventricular block in infants with congenital long QT syndrome. *Am J Cardiol* 1987; 60: 1409-10.
55. Garson A Jr., Dick M, 2nd, Fournier A, et al. The long QT syndrome in children. An international study of 287 patients. *Circulation* 1993; 87: 1866-72.
56. Trippel DL, Parsons MK, Gillette PC. Infants with long-QT syndrome and 2:1 atrioventricular block. *Am Heart J* 1995; 130: 1130-4.
57. Gorgels AP, Al Fadley F, Zaman L, Kantoch MJ, Al Halees Z. The long QT syndrome with impaired atrioventricular conduction: a malignant variant in infants. *J Cardiovasc Electrophysiol* 1998; 9: 1225-32.
58. van Hare GF, Franz MR, Roge C, Scheinman MM. Persistent functional atrioventricular block in two patients with prolonged QT intervals: elucidation of the mechanism of block. *Pacing Clin Electrophysiol* 1990; 13: 608-18.
59. Hoornstege T, Alders M, van Tintelen P, et al. Homozygous premature truncation of the HERG protein: the human HERG knockout. *Circulation* 1999; 100: 1264-7.
60. Pilippo K, Laitinen P, Swan H, et al. Homozygosity for a HERG potassium channel mutation causes a severe form of long QT syndrome: identification of an apparent founder mutation in the Finns. *J Am Coll Cardiol* 2000; 35: 1919-25.
61. Lupoglazoff JM, Cheav T, Baroudi G, et al. Homozygous SCN5A mutation in long-QT syndrome with functional two-to-one atrioventricular block. *Circ Res* 2001; 89: E16-E21.
62. Noda T, Shimizu W, Satomi K, et al. Classification and mechanism of Torsade de Pointes initiation in patients with congenital long QT syndrome. *Eur Heart J* 2004; 25: 2149-54.
63. Liu J, Laurita KR. The mechanism of pause-induced torsade de pointes in long QT syndrome. *J Cardiovasc Electrophysiol* 2005; 16: 981-7.
64. Viskin S, Fish R, Zeltser D, et al. Arrhythmias in the congenital long QT syndrome: how often is torsade de pointes pause dependent? *Heart* 2000; 83: 661-6.
65. el-Sherif N, Turitto G. The long QT syndrome and torsade de pointes. *Pacing Clin Electrophysiol* 1999; 22: 91-110.
66. Zhang L, Timothy KW, Vincent GM, et al. Spectrum of ST-T-wave patterns and repolarization parameters in congenital long-QT syndrome: ECG findings identify genotypes. *Circulation* 2000; 102: 2849-55.
67. Chang IK, Shyu MK, Lee CN, et al. Prenatal diagnosis and treatment of fetal long QT syndrome: a case report. *Prenat Diagn* 2002; 22: 1209-12.
68. Miller TE, Estrella E, Myerburg RJ, et al. Recurrent third-trimester fetal loss and maternal mosaicism for long-QT syndrome. *Circulation* 2004; 109: 3029-34.
69. Tester DJ, McCormack J, Ackerman MJ. Prenatal molecular genetic diagnosis of congenital long QT syndrome by strategic genotyping. *Am J Cardiol* 2004; 93: 788-91.
70. Fitzgerald PT, Ackerman MJ. Drug-induced torsades de pointes: the evolving role of pharmacogenetics. *Heart Rhythm* 2005; 2: S30-7.
71. Roden DM. Drug-induced prolongation of the QT interval. *N Engl J Med* 2004; 350: 1013-22.
72. Viskin S, Justo D, Halkin A, Zeltser D. Long QT syndrome caused by noncardiac drugs. *Prog Cardiovasc Dis* 2003; 45: 415-27.
73. Abriel H, Schlapfer J, Keller DI, et al. Molecular and clinical determinants of drug-induced long QT syndrome: an iatrogenic channelopathy. *Swiss Med Wkly* 2004; 134: 685-94.
74. Sun Z, Milos PM, Thompson JF, et al. Role of a KCNH2 polymorphism (R1047 L) in dofetilide-induced Torsades de Pointes. *J Mol Cell Cardiol* 2004; 37: 1031-9.
75. Ackerman MJ, Tester DJ, Jones GS, Will ML, Burrow CR, Curran ME. Ethnic differences in cardiac potassium channel variants: implications for genetic susceptibility to sudden cardiac death and genetic testing for congenital long QT syndrome. *Mayo Clin Proc* 2003; 78: 1479-87.
76. Ackerman MJ, Splawski I, Makielinski JC, et al. Spectrum and prevalence of cardiac sodium channel variants among black, white, Asian, and Hispanic individuals: implications for arrhythmogenic susceptibility and Brugada/long QT syndrome genetic testing. *Heart Rhythm* 2004; 1: 600-7.
77. Ye B, Valdivia CR, Ackerman MJ, Makielinski JC. A common human SCN5A polymorphism modifies expression of an arrhythmia causing mutation. *Physiol Genomics* 2003; 12: 187-93.
78. Makielinski JC, Ye B, Valdivia CR, et al. A ubiquitous splice variant and a common polymorphism affect heterologous expression of recombinant human SCN5A heart sodium channels. *Circ Res* 2003; 93: 821-8.
79. Roden DM. Long QT syndrome: reduced repolarization reserve and the genetic link. *J Intern Med* 2006; 259: 59-69.
80. Plant LD, Bowers PN, Liu Q, et al. A common cardiac sodium channel variant associated with sudden infant death in African Americans, SCN5A S1103Y. *J Clin Invest* 2006; 116: 430-5.
81. Walker BD, Krahn AD, Klein GJ, Skanes AC, Yee R. Burst bicycle exercise facilitates diagnosis of latent long QT syndrome. *Am Heart J* 2005; 150: 1059-63.
82. Vincent GM, Jaiswal D, Timothy KW. Effects of exercise on heart rate, QT, QTc and QT/QT₂ in the Romano-Ward inherited long QT syndrome. *Am J Cardiol* 1991; 68: 498-503.
83. Takenaka K, Ai T, Shimizu W, et al. Exercise stress test amplifies genotype-phenotype correlation in the LQT1 and LQT2 forms of the long-QT syndrome. *Circulation* 2003; 107: 838-44.
84. Swan H, Viitasalo M, Piippo K, Laitinen P, Kontula K, Toivonen L. Sinus node function and ventricular repolarization during exercise stress test in long QT syndrome patients with KvLQT1 and HERG potassium channel defects. *J Am Coll Cardiol* 1999; 34: 823-9.
85. Schwartz PJ, Priori SG, Locati EH, et al. Long QT syndrome patients with mutations of the SCN5A and HERG genes have differential responses to Na⁺ channel blockade and to increases in heart rate. Implications for gene-specific therapy. *Circulation* 1995; 92: 3381-6.
86. Schwartz PJ. Management of long QT syndrome. *Nat Clin Pract Cardiovasc Med* 2005; 2: 346-51.
87. Tester DJ, Will ML, Haglund CM, Ackerman MJ. Compendium of cardiac channel mutations in 541 consecutive unrelated patients referred for long QT syndrome genetic testing. *Heart Rhythm* 2005; 2: 507-17.
88. Zhang L, Vincent GM, Baralle M, et al. An intronic mutation causes long QT syndrome. *J Am Coll Cardiol* 2004; 44: 1283-91.
89. Priori SG. Inherited arrhythmogenic diseases: the complexity beyond monogenic disorders. *Circ Res* 2004; 94: 140-5.
90. Priori SG, Napolitano C, Schwartz PJ. Low penetrance in the long-QT syndrome: clinical impact. *Circulation* 1999; 99: 529-33.

91. Schwartz PJ. Clinical applicability of molecular biology: the case of the long QT syndrome. *Curr Control Trials Cardiovasc Med* 2000; 1: 88-91.
92. Moss AJ, Zareba W, Kaufman ES, et al. Increased risk of arrhythmic events in long-QT syndrome with mutations in the pore region of the human ether-a-go-go-related gene potassium channel. *Circulation* 2002; 105: 794-9.
93. Yao CT, Wang JN, Tsai YC, Lin CS, Wu JM. Congenital long QT syndrome with functionally impaired atrioventricular conduction: successful treatment by mexiletine and propranolol. *J Formos Med Assoc* 2002; 101: 291-3.
94. Ackerman MJ, Khositseth A, Tester DJ, Hejlik JB, Shen WK, Porter CB. Epinephrine-induced QT interval prolongation: a gene-specific paradoxical response in congenital long QT syndrome. *Mayo Clin Proc* 2002; 77: 413-21.
95. Khositseth A, Hejlik J, Shen WK, Ackerman MJ. Epinephrine-induced T-wave notching in congenital long QT syndrome. *Heart Rhythm* 2005; 2: 141-6.
96. Shimizu W, Noda T, Takaki H, et al. Diagnostic value of epinephrine test for genotyping LQT1, LQT2, and LQT3 forms of congenital long QT syndrome. *Heart Rhythm* 2004; 1: 276-83.
97. Priori SG, Schwartz PJ, Napolitano C, et al. Risk stratification in the long-QT syndrome. *N Engl J Med* 2003; 348: 1866-74.
98. Locati EH, Zareba W, Moss AJ, et al. Age- and sex-related differences in clinical manifestations in patients with congenital long-QT syndrome: findings from the International LQTS Registry. *Circulation* 1998; 97: 2237-44.
99. Zareba W, Moss AJ, Schwartz PJ, et al. Influence of genotype on the clinical course of the long-QT syndrome. International Long-QT Syndrome Registry Research Group. *N Engl J Med* 1998; 339: 960-5.
100. Khositseth A, Tester DJ, Will ML, Bell CM, Ackerman MJ. Identification of a common genetic substrate underlying postpartum cardiac events in congenital long QT syndrome. *Heart Rhythm* 2004; 1: 60-4.
101. Rashba EJ, Zareba W, Moss AJ, et al. Influence of pregnancy on the risk for cardiac events in patients with hereditary long QT syndrome. LQTS Investigators. *Circulation* 1998; 97: 451-6.
102. Itoh T, Kikuchi K, Odagawa Y, et al. Correlation of genetic etiology with response to beta-adrenergic blockade among symptomatic patients with familial long-QT syndrome. *J Hum Genet* 2001; 46: 38-40.
103. Chatrath R, Bell CM, Ackerman MJ. Beta-blocker therapy failures in symptomatic probands with genotyped long-QT syndrome. *Pediatr Cardiol* 2004; 25: 459-65.
104. Dorostkar PC, Eldar M, Belhassen B, Scheinman MM. Long-term follow-up of patients with long-QT syndrome treated with beta-blockers and continuous pacing. *Circulation* 1999; 100: 2431-6.
105. Priori SG, Napolitano C, Schwartz PJ, et al. Association of long QT syndrome loci and cardiac events among patients treated with beta-blockers. *JAMA* 2004; 292: 1341-4.
106. Benhorin J, Taub R, Goldmit M, et al. Effects of flecainide in patients with new SCN5A mutation: mutation-specific therapy for long-QT syndrome? *Circulation* 2000; 101: 1698-706.
107. Schulze-Bahr E, Fenge H, Etzrodt D, et al. Long QT syndrome and life threatening arrhythmia in a newborn: molecular diagnosis and treatment response. *Heart* 2004; 90: 13-6.
108. Kehl HG, Haverkamp W, Rellensmann G, et al. Images in cardiovascular medicine. Life-threatening neonatal arrhythmia: successful treatment and confirmation of clinically suspected extreme long QT-syndrome-3. *Circulation* 2004; 109: e205-e206.
109. Shimizu W, Kurita T, Matsuo K, et al. Improvement of repolarization abnormalities by a K⁺ channel opener in the LQT1 form of congenital long-QT syndrome. *Circulation* 1998; 97: 1581-8.
110. Etheridge SP, Compton SJ, Tristani-Firouzi M, Mason JW. A new oral therapy for long QT syndrome: long-term oral potassium im-
- proves repolarization in patients with HERG mutations. *J Am Coll Cardiol* 2003; 42: 1777-82.
111. Khan IA, Gowda RM. Novel therapeutics for treatment of long-QT syndrome and torsade de pointes. *Int J Cardiol* 2004; 95: 1-6.
112. Viskin S. Cardiac pacing in the long QT syndrome: review of available data and practical recommendations. *J Cardiovasc Electrophysiol* 2000; 11: 593-600.
113. Moss AJ, Liu JE, Gottlieb S, Locati EH, Schwartz PJ, Robinson JL. Efficacy of permanent pacing in the management of high-risk patients with long QT syndrome. *Circulation* 1991; 84: 1524-9.
114. Monnig G, Kobe J, Loher A, et al. Implantable cardioverter-defibrillator therapy in patients with congenital long-QT syndrome: a long-term follow-up. *Heart Rhythm* 2005; 2: 497-504.
115. Zareba W, Moss AJ, Daubert JP, Hall WJ, Robinson JL, Andrews M. Implantable cardioverter defibrillator in high-risk long QT syndrome patients. *J Cardiovasc Electrophysiol* 2003; 14: 337-41.
116. Kaufman ES. Saving lives in congenital long QT syndrome: who benefits from implantable cardioverter defibrillator therapy? *J Cardiovasc Electrophysiol* 2003; 14: 342-3.
117. Moss AJ, McDonald J. Unilateral cervicothoracic sympathetic ganglionectomy for the treatment of long QT interval syndrome. *N Engl J Med* 1971; 285: 903-4.
118. Schwartz PJ, Locati EH, Moss AJ, Crampton RS, Trazzi R, Ruberti U. Left cardiac sympathetic denervation in the therapy of congenital long QT syndrome. A worldwide report. *Circulation* 1991; 84: 503-11.
119. Wang LX. Role of left cardiac sympathetic denervation in the management of congenital long QT syndrome. *J Postgrad Med* 2003; 49: 179-81.
120. Wang L, Feng G. Left cardiac sympathetic denervation as the first-line therapy for congenital long QT syndrome. *Med Hypotheses* 2004; 63: 438-41.
121. Schwartz PJ, Priori SG, Cerrone M, et al. Left cardiac sympathetic denervation in the management of high-risk patients affected by the long-QT syndrome. *Circulation* 2004; 109: 1826-33.
122. Haissaguerre M, Extramiana F, Hocini M, et al. Mapping and ablation of ventricular fibrillation associated with long-QT and Brugada syndromes. *Circulation* 2003; 108: 925-8.
123. Di Paolo M, Luchini D, Bloise R, Priori SG. Postmortem molecular analysis in victims of sudden unexplained death. *Am J Forensic Med Pathol* 2004; 25: 182-4.
124. Ackerman MJ, Tester DJ, Porter CJ, Edwards WD. Molecular diagnosis of the inherited long-QT syndrome in a woman who died after near-drowning. *N Engl J Med* 1999; 341: 1121-5.
125. Chugh SS, Senashova O, Watts A, et al. Postmortem molecular screening in unexplained sudden death. *J Am Coll Cardiol* 2004; 43: 1625-9.
126. Tester DJ, Ackerman MJ. Sudden infant death syndrome: how significant are the cardiac channelopathies? *Cardiovasc Res* 2005; 67: 388-96.

Reimpresos:

Dra. Argelia Medeiros-Domingo

Unidad de Biología Molecular
Instituto Nacional de Ciencias Médicas y Nutrición
Salvador Zubirán
Vasco de Quiroga No. 15, Tlalpan
14000, México, D.F.
Tel. y fax 5655-0011.
Correo electrónico: argeliamed@yahoo.com

Recibido el 17 de abril de 2006.

Aceptado el 23 de agosto de 2006.