

**Artículos Originales**

El factor de crecimiento transformante β como blanco terapéutico

Salud Pública Méx 2004; Vol. 46(4):341-350

Francisco Javier Gálvez-Gastélum, Biól,(1) Ana Soledad Sandoval-Rodríguez, QFB,(1) Juan Armendáriz-Borunda, Dr en C.(1)

(1) Instituto de Biología Molecular y Terapia Genica, Centro Universitario de Ciencias de la Salud, Universidad de Guadalajara, Jalisco, México.

Resumen

El factor de crecimiento transformante β (TGF- β) es una familia de proteínas que incluye al TGF- β , activinas y a la proteína morfogénica de hueso (BMP, por sus siglas en inglés), citocinas que son secretadas y se relacionan estructuralmente en diferentes especies de metazoarios. Los miembros de la familia del TGF- β regulan diferentes funciones celulares como proliferación, apoptosis, diferenciación, migración, y tienen un papel clave en el desarrollo del organismo. El TGF- β está implicado en varias patologías humanas, incluyendo desórdenes autoinmunes y vasculares, así como enfermedades fibróticas y cáncer. La activación del receptor del TGF- β propicia su fosforilación en residuos de serina/treonina y dispara la fosforilación de proteínas efectoras intracelulares (smad), que una vez activas se transcan al núcleo para inducir la transcripción de genes blanco, y así regular procesos y funciones celulares. Se están desarrollando novedosas estrategias terapéuticas encaminadas a corregir las alteraciones presentes en patologías que involucran al TGF- β como actor principal. El texto completo en inglés de este artículo está disponible en: <http://www.insp.mx/salud/index.html>

Palabras clave: transducción de señal; factor beta transformador de crecimiento; smad; receptor

Abstract

Transforming growth factor- β (TGF- β family members include TGF- β , activins, and bone morphogenetic proteins (BMP). These proteins are structurally related cytokines secreted in diverse Metazoans. TGF- β family members

regulate cellular functions such as proliferation, apoptosis, differentiation, and migration, and play an important role in organism development. Deregulated TGF- β family signaling participates in various human pathologies including autoimmune diseases, vascular disorders, fibrotic disease, and cancer. Ligand-induced activation of TGF- β family receptors with intrinsic serine/threonine kinase activity, triggers phosphorylation of the intracellular effectors of TGF- β signaling, the Smads proteins. Once these proteins are activated they translocate into the nucleus, where they induce transcription of target genes and regulate cellular processes and functions. Novel therapeutic strategies are currently being developed to correct alterations in pathologies that involve TGF- β as the main mediator. The English version of this paper is available at: <http://www.insp.mx/salud/index.html>

Key words: signal transduction; transforming growth factor beta; smad; receptor

Solicitud de sobretiros: Dr. Juan Armendáriz Borunda. Apartado Postal 2-123, 44281 Guadalajara, Jalisco, México. Correo electrónico: armendbo@cucs.udg.mx

Introducción

Historia

La historia del descubrimiento y el aislamiento original del factor de crecimiento (TGF- β) describe la actividad de esta molécula en términos simplistas. Durante los años 70 hubo grandes inquietudes por definir factores de crecimiento peptídico individuales que podían conferir un fenotipo transformado en células no malignas; dicha transformación era posible en células que crecían en cultivo de una manera independiente del anclaje. Lo más prominente fue la descripción en 1978 de un factor de crecimiento del sarcoma, el cual provenía de un extracto de células transformadas por virus, que causaba que los fibroblastos de riñón de rata normal (NRK, por sus siglas en inglés) crecieran en medio con agar. Cuando este extracto fue purificado, se encontró que la habilidad para causar el crecimiento era el resultado de dos péptidos nombrados posteriormente TGF- α y TGF- β ; pero no fue sino hasta 1981 cuando Anita Roberts y colaboradores en su laboratorio de los Institutos Nacionales de Salud (NIH, por sus siglas en inglés) identificaron al TGF- β como una molécula involucrada en un sinnúmero de procesos biológicos. Originalmente el TGF- β fue el primero en purificarse de plaquetas y placenta humanas, y riñón de bovino, y ser caracterizado como un homodímero de 25 kDa.¹

El TGF- β es una superfamilia de proteínas integrada por más de 35 citocinas que incluye a las activinas, inhibinas, proteína morfogénica de hueso (BMP, por sus siglas en inglés), hormona anti-mülleriana y al factor de crecimiento transformante β propiamente dicho, que regulan una gran cantidad de actividades biológicas como proliferación, migración y apoptosis en diferentes tipos celulares, tanto en el estado adulto como durante el desarrollo embrionario.¹

Todos estos factores de crecimiento comparten un grupo de residuos de cisteína altamente conservados que forman una estructura común, sostenida por enlaces disulfuro intramoleculares.^{2,3}

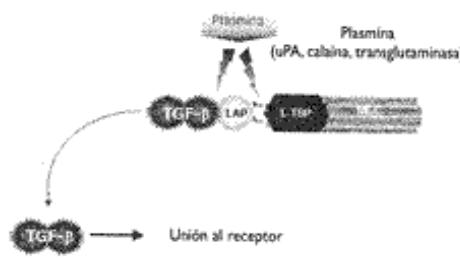
Las activinas y las BMP juegan un papel importante durante el desarrollo embrionario; las activinas inducen el mesodermo dorsal en embriones de *Xenopus laevis*, y las BMP también desempeñan importantes funciones al inducir el mesodermo ventral en este mismo organismo.⁴

El TGF- β es considerado como una citocina multifuncional (pleiotrópica) debido a los efectos que tiene sobre los diferentes tipos celulares. Es el inhibidor más potente de proliferación en células mieloides, mesenquimales, epiteliales, linfoides, endoteliales y en varios tipos de células malignas. Alternativamente, puede estimular la proliferación de fibroblastos normales encélulas no epiteliales y cierto tipo de células mesenquimales. Es un fuerte estimulador de

la síntesis y depósito de proteínas de matriz extracelular por parte de fibroblastos, osteoblastos y células endoteliales; además, induce la expresión de integrinas y receptores que median las interacciones celulares con proteínas de matriz extracelular. Particularmente el TGF- β 1 también induce otros eventos intracelulares como la regulación de factores de crecimiento que intervienen en la diferenciación celular; induce cambios de expresión de los genes *jun-B*, *c-fos* y *c-myc*; induce recambio de IP3; evita la fosforilación de la proteína Rb (retinoblastoma), dependiente del contacto célula-célula e induce la activación de proteínas G.⁵

Estructura

Existen cinco isoformas del TGF- β en diferentes organismos, como se muestra en la figura 1. Adicionalmente, un heterodímero del TGF- β (TGF- β 1.2) se ha identificado en plaquetas porcinas. En mamíferos se han descrito tres formas del TGF- β ($-\beta$ 1, $-\beta$ 2 y $-\beta$ 3), las cuales residen en diferentes cromosomas (19q13, 1q41 y 14q24 en humanos, respectivamente), pero poseen 80% de homología en secuencia de aminoácidos, mientras que las isoformas 4 y 5 se han identificado en aves y anfibios, respectivamente.⁵⁻⁷ El TGF- β es producido como un precursor dimérico de 25 kDa, secretado en forma letente (anclado a superficie celular o a la matriz extracelular), que posee 390 aminoácidos, en el cual la porción C-terminal de 112-114 aminoácidos posee nueve residuos de cisteína, y es la región activa después de que es cortada proteolíticamente en el aminoácido 278.^{5,6,8}



uPA: activador de plasminógeno tipo urocinasa
MEC: matriz extracelular
L-TBP: péptido asociado a TGF- β latente
LAP: péptido asociado a la latencia

FIGURA 1. ESTRUCTURA Y ACTIVACIÓN DEL TGF- β . Es sintetizado como una molécula inactiva, unida a una secuencia de aminoácidos, conocida como péptido asociado a la latencia (LAP), que está anclada a la matriz extracelular mediante una proteína denominada proteína de unión al TGF- β latente (L-TBP, por sus siglas en inglés), que tiene que ser proteolíticamente separada para que el TGF- β pueda unirse a su receptor.

La activación del TGF- β es dada por varios factores, incluyendo pH extremo, altas temperaturas, proteólisis limitada o desglucosilación del péptido asociado a la latencia (LAP, por sus siglas en inglés).⁹ También existe un mecanismo particular de activación, indicado por la unión del complejo latente del TGF- β 1 a la glucoproteína de matriz extracelular llamada trombospon 1 (TSP-1).¹⁰

Muchos tipos celulares expresan los TGF- β 1 y TGF- β 2 con 70% de homología en su secuencia de aminoácidos, mientras que el TGF- β 3 es sintetizado por células mesenquimales y posee 79% de homología con el TGF- β 2. Entre los mamíferos, la secuencia de aminoácidos del TGF- β 1 es altamente conservada (100%), ya que es idéntica en humanos, cerdos, vacas y monos y difiere sólo en un aminoácido en ratones. La estructura tridimensional de la proteína del TGF- β 1 comienza en el extremo N-terminal con una cadena α -hélice (α 1) seguida por una cadena β -plegada (β 1) y una cadena plegada antiparalela irregular. En segundo término, sigue una segunda cadena α -hélice (α 2) y una asa larga con numerosos contactos hidrofóbicos. Se continúa con una segunda cadena β -plegada (β 2), otra asa larga y una tercera cadena α -hélice (α 3), la cual termina con un giro β -tipo II y una asa larga. El extremo C-terminal de la molécula forma una estructura pantiaparalela extensa con un giro β -tipo II. Las cadenas β 3, β 4, β 5, β 6 y β 7 plegadas se forman por apareamiento de residuos

intercatenarios del extremo C-terminal de la proteína.⁵

Receptor

Se han descrito tres tipos de receptores para que el TGF- β lleve a cabo su señalización (TGF- β RI de 53 a 65 kDa, TGF- β RII con 83 a 110 kDa y TGF- β RIII que va de 250 a 310 kDa), aunque algunos investigadores han propuesto que existen dos receptores adicionales que son el tipo IV (TGF- β RV) de 60 kDa y el tipo V (TGF- β RV) con 400 kDa, identificados sólo en células pituitarias. Se presentan algunas diferencias entre los receptores tipo I y II que se basan en la conservación de los dominios con actividad de cinasa y la presencia de un dominio serina/treonina (dominio GS) que se encuentra anclado a la membrana en el receptor tipo I y el cual es crítico para su activación. Por otro lado, el receptor tipo III, también llamado β -glicano, no tiene dominio de señalización intracelular y puede ser anclado a la membrana o secretado en forma soluble.^{6,7,9} En mamíferos, sólo cinco receptores tipo II y siete tipo I han sido identificados, y descritos 29 ligandos.

En ausencia de ligando, los receptores tipo I y II existen como homodímeros en la superficie celular.

Los complejos del receptor son heterotetraméricos y consisten de dos receptores tipo II a los cuales se une el ligando, y dos receptores tipo I, que transmiten la señal de transducción, a los cuales, en muchas ocasiones, no puede unirse el ligando directamente.¹¹ El ensamblaje del complejo heteromérico es iniciado por la unión del ligando y estabilizado por las interacciones entre los dominios citoplásmicos de los receptores tipo I y II. Este modelo de activación del receptor involucra la potenciación de la actividad de cinasa del receptor tipo I a través de la fosforilación de dominio GS por el receptor tipo II.^{5,12} Durante la activación del receptor, el T β RI actúa después de activado el T β RII en muchos casos, aunque la respuesta mediada por el TGF- β y el receptor tipo I determinan la especificidad de señales intracelulares. Una secuencia de nueve aminoácidos entre las sub-unidades IV y V con actividad de cinasa del T β RI es importante para la transducción de señales específicas del TGF- β (figura 2).

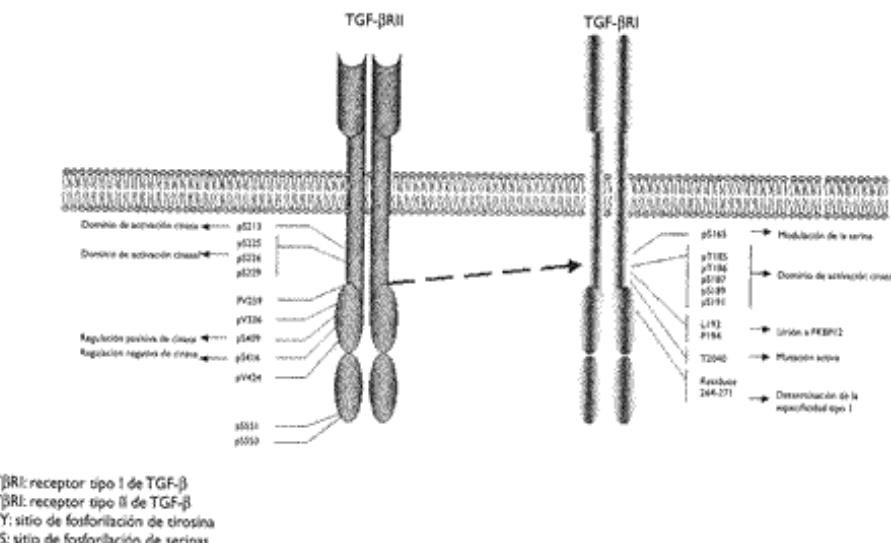


FIGURA 2. SITIOS DE FOSFORILACIÓN DURANTE LA ACTIVACIÓN DEL T β RI Y DEL T β RII. EL TGF β SE UNE EN FORMA DÍMERICAS AL COMPLEJO HETEROGRAMÉTRICO FORMADO POR DOS T β RII Y DOS T β RI. SE MUESTRAN LOS DOMINIOS GS Y EL DOMINIO CINASA. SITIOS DE AUTOFOSFORILACIÓN EN EL T β RII Y SITIOS FOSFORILADOS EN EL T β RI POR EL T β RII Y SUS PAPELES FUNCIONALES TAMBÉN SE INDICAN. TAMBÉN SE PUEDEN APRECiar UN RESIDUO DE AMINOÁCIDOS INVOLUCRADO EN LA UNIÓN DE FKBP12, MUTACIONES INVOLUCRADAS EN LA ACTIVACIÓN Y UN SITIO IMPORTANTE EN LA ESPECIFICIDAD DE SEÑALIZACIÓN DEL T β RI

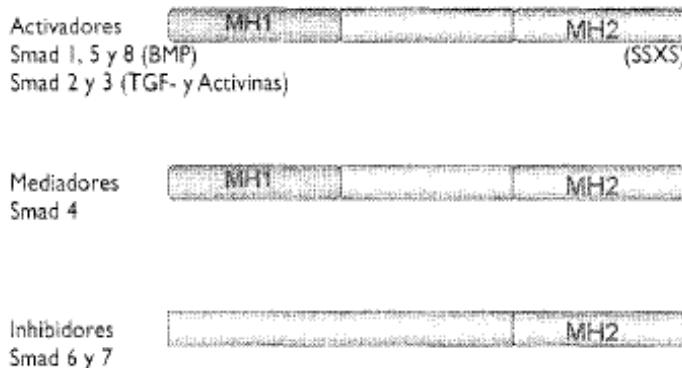
Algunos sitios de fosforilación en los receptores T β RI y T β RII se identificaron utilizando receptores químicos y silvestres, encontrándose ciertas regiones en el T β RII que son importantes en la regulación de la señalización; también la fosforilación de serinas en la posición 213 y 409 son importantes durante la activación del receptor, y la fosforilación de la serina en la posición 416 es

indispensable para inhibir la activación del T/βRII.^{9,12}

Existe una afinidad diferencial entre T/βRI, II y III, sin embargo, no hay relación directa entre la afinidad de unión y el efecto biológico. Los efectos de las iso-formas del TGF-β están asociados a su disponibilidad, a la combinación de los tipos de receptores y a la vía de señalización intracelular que inducen; por ejemplo, los T/βRI y II se unen al TGF-β1 y al TGF-β3 con mayor afinidad que al TGF-β2.⁵ El β-glicano, formalmente llamado receptor tipo III, se puede unir a todas las isoformas del TGF-B, pero puede jugar un papel selectivo al facilitar la interacción del TGF-β2 con el TβRII.^{13,14} Todas las células normales y la mayoría de las células normales y la mayoría de las células neoplásicas tienen receptores en su superficie para el TGF-β1. Los receptores I y II son los responsables de los efectos biológicos del TGFβ1 en las células de mamífero; sin embargo, los receptores tipo III, constituidos por β-glicanos y endoglinina, son también capaces de unirse al TGF-β1. Los β-glicanos están ampliamente distribuidos en células mesenquimales, epiteliales y neuronas; se unen a través de su región extracelular de 100 kDa, poseen una región citoplásica corta y una región intracelular que no participa en la señal de transducción. La endoglinina es similar a los β-glicanos, particularmente en la región citoplásica, y está presente en altas concentraciones en las células endoteliales.⁵

Las proteínas smad: mediadores de la señal de transducción

Las proteínas smad han sido identificadas como las principales transductoras de la señalización del TGF-β, median la señalización del receptor en la superficie celular a los genes blanco en el núcleo. El primer miembro de la familia smad, llamado Mad (mothers against dpp) fue identificado en *Drosophila melanogaster*; éste fue seguido por la clonación de las proteínas sma 2, sma 3 y sma 4 en *Caenorhabditis elegans* las cuales poseen dominios C-terminal y N-terminal altamente conservados, llamados dominios de homología a Mad 1 v 2 (MH1 y MH2, respectivamente) unidos por una región rica en prolina.¹² Existen ocho proteínas smad en vertebrados (Smad 1-Smad 8) que han sido descritas con tres distintas funcionalidades: smad activadas por el receptor o R-Sinad (Smad 1, 2, 3, 5 y 8), smad mediadora común o C-Smad (Smad4) y, finalmente, las smad inhibitorias o I-Smad (Smad 6 y 7), figura 3.^{3,13-15}



MH1: dominio 1 de homología mad
 MH2: dominio 2 de homología mad
 BMP: proteína morfogénica de huesos
 SSXS: secuencia rica en serinas

FIGURA 3. LA FAMILIA SMAD. SE MUESTRAN LAS PRINCIPALES ESTRUCTURAS ESQUEMÁTICAS Y LOS TRES DISTINTOS SUBGRUPOS: R-SMAD, CO-SMAD Y I-SMAD. LA HOMOLOGÍA DE LOS SEGMENTOS MH1 Y MH2 EN LAS REGIONES AMINO Y CARBOXILO TERMINALES, RESPECTIVAMENTE. TAMBIÉN SE MUESTRA EL RESIDUO RICO EN SERINA (SSXS) EN LA REGIÓN CARBOXILO TERMINAL DEL R-SMAD QUE PUEDE SER FOSFORILADO POR EL RECEPTOR TIPO I

A su vez, a las R-Smad se han agrupado en dos grupos principales de acuerdo con la manera como son activadas por su receptor tipo 1. Estas incluyen a Smad 2 y Smad 3 que son activadas a través de fosforilación de su segmento C-terminal por el receptor tipo 1 del TGF- β y el receptor de activina (T β RI y ActRIB, respectivamente); Smad 1, Smad 5 y Smad 8 son activadas por Alk1, Alk2 o BMP.⁹

Estas smad activadas por el receptor son liberadas del complejo del receptor para formar un complejo heterotrimérico de dos R-Smad y una Smad 4, y translocarse dentro del núcleo.³ Las R-Smad y Smad 4 contienen un dominio MH1 y MH2 en la región C-terminal que flanquea un segmento medio (de unión). Las I-Smad carecen del dominio MH1 reconocible, pero tienen el dominio MH2. Los dominios MH1 y MH2 pueden interactuar con factores de transcripción de secuencia específicos, donde el C-terminal de las R-Smad interactúa y recluta a coactivadores relacionados con la proteína de unión a CREB (CBP) o p300.^{12,14} Se ha identificado una gran variedad de proteínas, que interactúan con los complejos de receptores, y las R-Smad, que son indispensables como chaperonas para el reclutamiento de las smad y su unión a su receptor específico. Entre estos están: el anclaje de las Smad para la activación del receptor (SARA, por sus siglas en inglés), el sustrato tirosinacina regulado por el HGF (Hgs, por sus siglas en inglés), Axina, Fodrina de hígado embrionario (ELF, por sus siglas en inglés), la proteína 1 asociada al receptor del TGF13 (TRAP 1, por sus siglas en inglés), el pseudo gen del polipéptido ligero de ferritina (FTLP, por sus siglas en inglés), y el efector antagonista de la Smad 1 (SANE, por sus siglas en inglés).

Señalización

En el espacio extracelular, el TGF- β se une al T β RIII, el cual recluta al T β RII y se autofosforila, o el TGF- β se puede unir directamente al T β RII anclado a membrana e inducir la atracción del T β RI y su consecuente fosforilación. Esta fosforilación en el receptor tipo I activa a las cinasas en residuos de tirosina que fosforilan a los factores de transcripción Smad 2 y Smad 3; una vez fosforilados, forman un complejo con Smad 4 para trasladarse del citoplasma hacia el núcleo, donde interactúan de una manera específica con otros factores

de transcripción como AP-1, regulando la transcripción de genes de respuesta al TGF- β para llevar a cabo sus funciones biológicas de diferenciación, control del crecimiento, apoptosis celular y síntesis de matriz extracelular, entre otras (un ejemplo es el gen de colágena), figura 4.3,9

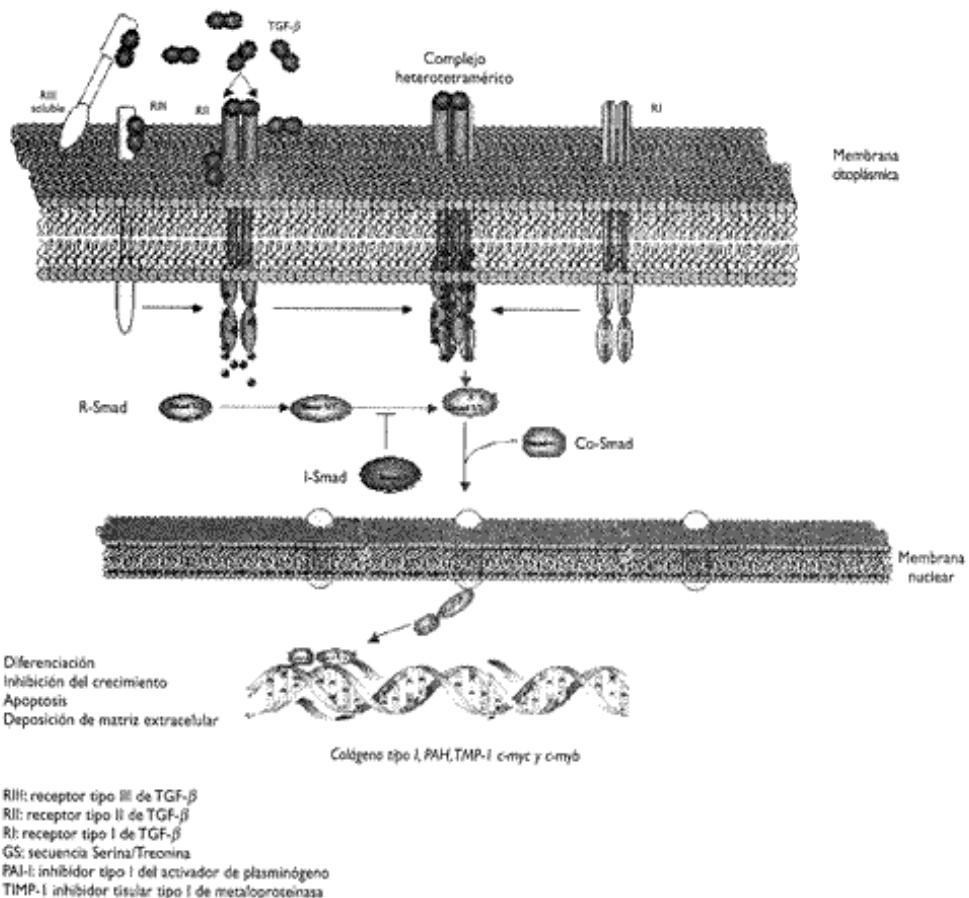


FIGURA 4. MECANISMO GENERAL DE LA SEÑALIZACIÓN DEL TGF- β . EN LA SUPERFICIE CELULAR, EL LIGANDO SE UNE A UN COMPLEJO DE RECEPTORES TRANSMEMBRANALES CON ACTIVIDAD DE CINASA EN RESIDUOS DE SERINA/TREONINA (T β IR Y T β IIR) Y INDUCE LA TRANSFOSFORILACIÓN DEL SEGMENTO GS EN EL RECEPTOR TIPO I POR EL RECEPTOR TIPO II. EL RECEPTOR TIPO I FOSFORILADO RECLUTA A LAS SMAD RECEPTORAS (SMAD 2 Y 3) QUE SON ACTIVADAS Y FORMAN UN COMPLEJO CON SMAD COLABORADOR (SMAD 4), PARA TRANSLOCARSE AL NÚCLEO Y UNIRSE A SECUENCIAS SBE (ELEMENTOS DE UNIÓN A SMAD) Y ASÍ, LLEVAR A CABO SUS FUNCIONES BIOLÓGICAS. TAMBÉN SE MUESTRA EL PAPEL QUE JUEGAN LAS SMAD INHIBITORIAS (SMAD 6 Y 7) AL BLOQUEAR LA SEÑALIZACIÓN EVITANDO QUE SE FOSFORILEN SMAD 2 Y 3

Cabe mencionar el papel que juegan ciertas I-Smad, principalmente los tipo Smad-6 y Smad-7, que carecen de la región normalmente fosforilada por el receptor T β RI y, así, interfieren con la fosforilación de Smad-2 o Smad-3, regulando su actividad.^{2,3,9,16}

Papel inmunológico

Algunos estudios enfocados en descubrir el papel del TGF- β indican una función en procesos inmunes e inflamatorios, ya que suprime el crecimiento y diferenciación de muchos linajes de células inmunes, incluyendo células T y B.¹ El TGF- β es producido por todas y cada una de las células de linaje inmunológico y actúa de una manera autócrina y paracrína. Además de la regulación de la proliferación de células del sistema de defensa, regula la expresión de moléculas de adhesión, especialmente en la médula ósea y en el microambiente tímico. Este también actúa como un quimioatrayente para fibroblastos, monocitos y neutrófilos e inhibe la activación del sistema inmune por presentación antigenica o de interleucinas (IL). Además, las células T que entran en apoptosis normal son el mayor objetivo del TGF- β , con una acción inmunosupresora drástica, e *in vivo* aumenta las funciones efectoras y de memoria de los linfocitos T CD4+ antígeno-específicos, inhibe la secreción de IgG e IgM, suprime la hematopoyesis dependiente de IL-3. De manera importante y relevante, el TGF- β también controla la proliferación y maduración en células B y tiene un papel regulatorio crítico en la expresión de IgA.¹⁷

TGF-β en patologías

Se sabe que el TGF-β tiene un importante papel en la regulación del ciclo celular. En muchas células epiteliales, endoteliales y hematopoyéticas actúan inhibiendo la progresión de la fase G1 del ciclo mitótico, ya que estimula la producción de p15, un inhibidor de cinasas dependientes de ciclinas (CDC). Estos cambios resultan en un decremento en la fosforilación de la proteína Rb, la cual se une y secuestra miembros de la familia de factores de transcripción E2F e hinibe, de esta forma, la expresión de genes que regulan el ciclo celular como los *c-myc* y *c-myb*. En las células cancerosas, mutaciones en la vía de señalización del TGF-β confieren resistencia a la inhibición del crecimiento y, consecuentemente, disparan un crecimiento celular descontrolado. Además de los efectos antes mencionados, el TGF-β también juega un importante papel en las metástasis, ya que induce la expresión, tanto de matriz extracelular como de proteínas de adhesión celular, así como también decrece la producción de enzimas que degradan la matriz, o incrementa los inhibidores de dichas proteínas. Por todo lo anterior, es de suponerse que el TGF-β puede incrementar la invasión de las células malignas. Además, el TGF-β también induce la formación de nuevos vasos sanguíneos (angiogénesis) y la motilidad celular, y suprime al sistema inmune. La sobreproducción de una cicatriz fibrosa en diferentes órganos (hígado, riñón, pulmón), culminando con un estado patológico muy grave que en muchos casos lleva a la muerte. El TGF-β inhibe la proliferación y migración de células endoteliales y de músculo liso. Aunado a todo lo anterior, parece haber una relación entre el grado de expresión del TGF-β y la hipertensión arterial, debido a varios factores como elevación en la concentración de angiotensina II, incremento en la presión sanguínea sistémica y polimorfismos en el promotor del TGF-β.^{2,18}

Perspectivas terapéuticas

El papel del TGF-β en varias enfermedades humanas puede darse de dos formas: la primera, involucra un incremento en la actividad, como ocurre en pacientes que cursan con fibrosis, y la segunda, en la que la actividad del TGF-β decrece; tal es el caso del cáncer y de la aterosclerosis. Numerosos estudios experimentales encaminados a tratar de modular la expresión de esta fascinante citocina pleiotrópica en diferentes patologías han dado resultados satisfactorios; entre ellos tenemos a la administración de antioxidantes, drogas específicas, extractos de plantas, citocinas antagónicas, supresores de apoptosis, oligonucleótidos antisentido y herramientas de terapia génica con Smad 7, diseñadas específicamente para truncar la señalización del TGF-β.

Para el caso de fibrosis hepática se han realizado diversos protocolos en los que el punto clave es el TGF-β. Uno de estos estudios, el de Armendáriz-Borunda y colaboradores, indujo el bloqueo de la producción de esta citocina por las células de Kupffer mediante oligonucleótidos antisentido y el envío de anticuerpos neutralizantes (anti-TGFβ) a hígados con daño por CCl₄, para monitorear el estado inflamatorio a través de la expresión de citocinas pro-inflamatorias y anti-inflamatorias.¹⁹⁻²¹ Otro acercamiento promisorio es la inhibición de la activación proteolítica del TGF-β latente; por ejemplo, el inhibidor de proteasas de serina Camostat que suprime la activación de las células estelares hepáticas al inhibir la actividad de la plasmina, previniendo la fibrosis en el hígado,²² y el uso de un péptido sintético que bloquea la unión de trombospondina 1 al péptido asociado a la latencia (LAP) del TGF-β latente en un modelo de fibrosis hepática; de igual manera, se inhibió la activación de las células estelares hepáticas mediante un protocolo de terapia génica con Smad 7.^{10,23}

Recientemente, nuestro grupo ha realizado experimentos para bloquear la señalización del TGF-β mediante la expresión local de un receptor dominante

negativo tipo II, que carece del dominio intracitoplasmático serina/treonina (ACyT β RII) en fibrosis hepática experimental, tanto *in vivo* como *in vitro*, al disminuir la expresión de colágena y alterar la actividad de las Smad 2 y 3, concluyendo que esta tecnología podría ser útil para disminuir o prevenir la síntesis exacerbada de matriz extracelular en procesos fibróticos;^{2,8,24} o la utilización del receptor soluble del TGF- β que secuestra a su ligando TGF- β , e impide que éste llegue a su receptor.²⁵ Similarmente, se ha observado que la fibrosis inducida por ligadura del ducto biliar fue suprimida en una alta proporción por la expresión de una proteína de fusión del dominio Fc- de la inmunoglobulina G y la porción extracelular del receptor truncado del TGF- β , actuando como un barredor de esta citocina.^{26,27}

Debido a sus efectos celulares, el TGF- β es capaz de regular los eventos patofisiológicos *in vivo*, como el desarrollo embrionario normal, la angiogénesis en tejido tumoral, la transformación maligna y la vigilancia inmune. Como papel general, el efecto directo del TGF- β en las células cancerosas es la inhibición del crecimiento del cáncer. Las células cancerosas son capaces de adquirir la habilidad de evadir el efecto inhibitorio del TGF- β . Estas células malignas son capaces de producir grandes cantidades del TGF- β y esta cantidad excesiva promueve la angiogénesis tumoral y la supresión inmune.²⁸

La evidencia de que el TGF- β suprime la progresión del tumor lo hace un blanco atractivo para la intervención terapéutica; a este respecto, pequeñas moléculas inhibitorias como SB431542 disminuyen la actividad cinasa del T β RI, y algunos agentes que bloquean la señalización del TGF- β se encuentran en diferentes protocolos clínicos y pre-clínicos. Se ha utilizado de manera experimental una proteína de fusión soluble que comprende la región Fc- de la inmunoglobulina humana y T β RII (Fc-T β RII) que antagoniza la señalización del TGF- β e inhibe la metástasis de tumor mamario a pulmón, cuando es utilizada como una droga inyectable o cuando es expresada como transgen en glándula mamaria. La exposición crónica al Fc-T β RII no causa fenotipo autoinmune ni inflamatorio en ratones transgénicos, ni estos animales desarrollan tumores espontáneos.²⁹ También se ha comprobado que el inhibidor de fosfatidilcolina de fosfolipasa C (PCPLC), conocido como D609, bloquea la señalización del TGF- β en células de carcinoma pulmonar A549.³⁰ Se ha reportado un efecto inhibitorio de Smad 4 en la angiogénesis e invasión de tumores pancreáticos. La transferencia adenoviral de este gen en una línea de células de tumores pancreáticos deletados de Smad 4 de manera homocigótica restauró la expresión de la proteína y su función, aunque esto no afectó la proliferación *in vitro*, Smad 4 inhibió *in vivo* el crecimiento tumoral en ratones inmunodeficientes, al disminuir la expresión del factor de crecimiento del endotelio vascular (VEGF, por sus siglas en inglés) y de gelatinasas, reportándose con ello una reducida invasión, angiogénesis y una regulación negativa recíproca entre Smad 4 y ETS-1 (marcador de invasión tumoral).³¹

Múltiples estudios en animales y humanos sostienen un papel directo del TGF- β en procesos fibrogénicos *in vivo*. Hay evidencias de que la concentración del TGF- β 1 está bajo control genético, lo que implica que la variación genética del *locus* del TGF- β 1 puede influir en las enfermedades, incluyendo la fibrosis pulmonar idiopática. Xaubet y colaboradores han descubierto polimorfismos en el gen del TGF- β 1 en 128 pacientes con fibrosis pulmonar. Ellos estudiaron dos polimorfismos en el exon 1, en las posiciones + 869 y +915, que ocasionan una sustitución de una leucina a prolina en el codón 10, y de arginina a prolina en el codón 25. El polimorfismo en el codón 10 se asocia con un deterioro en la función pulmonar, con un significativo incremento en la tensión de oxígeno alveolar-arterial. Por tanto, Xaubet propone el uso de marcadores genéticos que permitan la identificación de pacientes más propensos a la enfermedad, que podrían ser más fácilmente detectados para un tratamiento anticitocina.³²

Algunos investigadores han demostrado en diversos trabajos que la fibrosis pulmonar puede ser inducida experimentalmente por la sobreexpresión del TGF- β 1 o mediante el envío de adenovirus que portan el cDNA del TGF- β instilados en pulmón, con el objetivo de establecer un modelo que ayude a entender algunos aspectos cuantitativos de la actividad biológica del TGF- β 1 y tratar de manipular este potente factor como un mediador de fibrogénesis.

intersticial.^{33,34} Por otro lado, la terapia génica con la smad inhibitoria (Smad 7) bloquea la cascada de señalización e inhibe la fibrosis pulmonar experimental inducida por bleomicina;³⁵ de manera similar, la administración de rectores adenovirales recombinantes, que llevan inserto el cDNA del receptor tipo II del TGF- β soluble, reduce la disponibilidad del TGF- β 1 activo y protege al pulmón del daño inducido por radiación en ratas.³⁶

La histología del riñón es alterada dramáticamente en todos los pacientes diabéticos. Los cambios estructurales tempranos consisten en hipertrofia glomerular y tubulointersticial. En estos pacientes, destinados a desarrollar insuficiencia renal, las proteínas de matriz extracelular se acumulan en el mesangio, obliterando los capilares glomerulares que lo rodean y reduciendo la capacidad de filtración glomerular. De una manera similar, la matriz extracelular se acumula en el intersticio tubular y alrededor de las arteriolas, conduciendo a la destrucción de las nefronas. Todos estos factores conducen a una enfermedad denominada nefropatía diabética y, en la última década, se han realizado investigaciones sobre una molécula efectora clave, responsable de la estimulación de las células renales para entrar en hipertrofia y a sobreexpresar proteínas de matriz extracelular; estos cambios son provocados por el TGF- β , una citocina hipertrófica y proesclerótica que afecta las células glomerulares, tubulares y los fibroblastos intersticiales. El TGF- β ha demostrado mediar virtualmente todos los cambios patológicos en enfermedades del riñón diabético.³⁷ De manera experimental se han utilizado oligonucleótidos antisentido contra una proteína de matriz extracelular homotrimérica (trombospondina 1), que participa en la activación no proteolítica del TGF- β latente, para que éste pueda unirse a su receptor y continúe con sus efectos biológicos.³⁸

Otra perspectiva terapéutica es la realizada por Zhu y colaboradores, en la que demuestran que el envío adenoviral del gen del dominio extracelular soluble del receptor tipo II del TGF- β (T β RII), fusionado a la porción Fc de la inmunoglobulina G humana y expresado en el sistema músculo-esquelético disminuye la disfunción renal y la cicatriz fibrosa en un modelo de nefritis de membrana basal antiglomerular (GBM, por sus siglas en inglés).³ La fibrosis tubulointersticial es el resultado final de una variedad de daños progresivos que conducen a la falla renal crónica. Como el TGF- β se sobreexpresa en respuesta a estímulos perjudiciales en riñón, como la obstrucción ureteral unilateral, causando fibrosis asociada con la transición epitelial-mesenquimal de los túbulos renales y la síntesis de matriz extracelular, los trabajos de Sato y colaboradores demuestran que la carencia de Smad 3, una intermediaria clave en la señalización del receptor del TGF- β , protege al riñón de la fibrosis tubulointersticial, como se evidencia por el bloqueo de la transición epitelial-mesenquimal y de acumulación de colágeno. Estos datos demuestran que la vía de Smad 3 es central en la patogénesis de la fibrosis intersticial y sugiere que los inhibidores de esta vía podrían tener aplicación clínica en el tratamiento de nefropatías obstructivas.³⁹

La ateroesclerosis es una enfermedad inflamatoria de la pared arterial, en la cual el papel que desempeñan ciertos mediadores proinflamatorios está bien fundamentado. El entendimiento de la actividad de los componentes antinflamatorios que participan en la modulación de la progresión de la placa ateroesclerótica se encuentra en etapas iniciales. Como los TGF- β 1, β 2 y β 3 son factores de crecimiento con gran actividad en células y tejidos en el sistema cardiovascular, se ha propuesto una participación en la patogénesis de la ateroesclerosis; esto ha dado inicio a estudios científicos, como los de Mallat y colaboradores, quienes demostraron que la inhibición de la señalización del TGF- β utilizando un anticuerpo neutralizante contra los TGF- β 1, β 2 y β 3, que impide la unión del TGF- β a su receptor, acelera el desarrollo de la placa ateroesclerótica en ratones deficientes de apolipoproteína E (apoE). Además, la inhibición de la señalización favorece el desarrollo de la lesión con un incremento en los componentes inflamatorios y un decremento en el contenido de colágeno. De esta manera, se demuestra el efecto protector de TGF- β en la ateroesclerosis.⁴⁰

Otros estudios ponen de manifiesto la importancia que tiene el TGF- β como una citocina inmunomoduladora que regula la activación de las células T para

detener la ateroesclerosis, como lo demostraron Robertson y colaboradores, al truncar la señalización del TGF- β , en ratones deficientes de apoE, cruzados con ratones transgénicos que portaban el receptor tipo II dominante negativo en sus células T, lo cual dió como resultado un incremento en la ateroesclerosis, expresión de interferón a (IFN- α), una reducida placa de colágena, incrementada activación de células T y secreción de citocinas.⁴¹

Conclusiones

El TGF- β es una familia de alrededor de 35 proteínas, descubiertas durante los años 70 y 80, que están ampliamente distribuidas de manera temporoespacial en los organismos metazoarios. De ellas, el TGF- β , propiamente dicho, es una molécula sintetizada como un precursor inactivo que puede convertirse en una forma funcional por múltiples mecanismos, entre ellos están un pH extremo, altas temperaturas, proteólisis limitada o desglucosilación del péptido asociado a la latencia, sin olvidar el mecanismo realizado por la trombospondina 1. debido a que es una molécula clave, tanto durante el desarrollo embrionario como en el adulto, al actuar de diferente manera (proliferación, migración, inmunomodulación y apoptosis, entre otras) en cada uno de los diferentes tipos celulares, así como durante condiciones patofisiológicas que involucran una gran variedad de órganos como hígado, pulmón, riñón y sistema vascular, el TGF- β se vale de tres tipos principales de receptores (T β RI, T β RII y T β RIII)

Referencias

- 1251-1253.
2. Blobe G, Schiemann W, Lodish H. Role of transforming growth factor B in human disease. *N Engl J Med* 2000; 4:1350-1358.
 3. Zhu H, Burgess A. Regulation of transforming growth factor B signaling. *Mol Cell Biol Res Community* 2001; 4: 321-330.
 4. Miyazono K. Positive and negative regulation of TGF/3 signaling. *J Cell Sci* 2000; 1 13:1 101-1 109.
 5. Peralta-Zaragoza O, Lagunas-Martínez A, Madrid-Marina V. Transforming growth factor beta-1: Structure, function, and regulation mechanisms in cancer. *Salud Pública Mex* 2001; 43:340-351. salud pública de méxico / vol.46, no.4, julio-agosto de 2004
 6. Border W, Noble N. TGF-/3. *Sci Am Sci Med* 1995; 2:68-77.
 7. Bissell M, Roulot D, George J. Transforming growth factor and the liver. *Hepatology* 2001; 34:859-867.
 8. Hernández-Cañaveral I, González J, López-Casillas F, Armendáriz-Borunda J. Amplified expression of dominant-negative transforming growth factor-beta type 1 receptor inhibits collagen type 1 production via reduced Smad-3 activity. *J Gastroenterol Hepatol* 2004; 19:380-387.
 9. Caestecker M. The transforming growth factor-B superfamily of receptors. *Cytokine Growth Factor Rev* 2004; 15:1-11.
 10. Kondou H, Mushiake S, Etani Y, Moyoshi Y, Michigami T, Ozono K. A blocking peptide for transforming growth factor-B I activation prevents hepatic fibrosis
 11. Susumu I, Fumiko 1, Goumans M, Dijke T. Signaling of transforming

- growth factor-B family members through Smad proteins. *Eur J Biochem* 2000; 267: 6954-6967.
12. Heldin CH, Miyazono J, Dijke P. TGF-/3 signaling from cell membrane to nucleus through SMAD proteins. *Nature* 1997; 390: 465-471.
13. Roberts A. TGF-/3 signaling from receptors to the nucleus, *Microbes Infect* 1999; 1: 1265-1273.
14. Deryck R, Zhang Y. Smad-dependent and smad-independent pathways in TGF-/3 family signaling. *Nature* 2003; 425: 577-584. 15. Whitman M. Feedback from inhibitory SMADs. *Nature* 1997; 389: 549-551.
16. Dijke Pt, Miyazono K, CH H. Signalling inputs converge on nuclear effectors in TGF-/3 signaling. *Trends Biochem Sci* 2000; 25: 64-70.
17. Moustakas A, Pardali K, Gaal A, Heldin CH. Mechanism of TGF-/3 signaling in regulation of cell growth and differentiation. *Immunol Lett* 2002; 82: 85-91.
18. Lijnen P, Petrov V, Fagard R. Association between transforming growth factor-B and hypertension. *Am J Hypertens* 2003; 16: 604-611. 19. Armendáriz-Borunda J, LeGros L, Campollo O, Panduro A, Rincón A. Antisense S-oligodeoxynucleotides down-regulate TGFB-production by Kupffer cells from CCL4-injured rat livers. *Biochim Biophys Acta* 1997; 1353: 241-252.
20. Delgado-Rizo V, Salazar A, Panduro A, Armendáriz-Borunda J. Treatment with anti-tumor growth factor B antibodies influences an altered pattern of cytokines gene expression in injured rat liver. *Biochim Biophys Acta* 1998; vol 1442(I): 20-27.
21. Gressner A, Weiskirchen R, Breitkopf K, Dooley S. Roles of TGF-/3 in hepatic fibrosis. *Front Biosci* 2002; 7: 793-807.
22. Okuno M, Akita K, Moriwaki H, Kawada N, Ikeda K, Kaneda K et al. Prevention of rat hepatic fibrosis by the protease inhibitor, camostat mesilate, via reduced generation of active TGF-/3. *Gastroenterology* 2001; 120: 1781-1800.
23. Dooley S, Hamzavi J, Breitkopf K, Wiercinska E, Said H, Lorenzen J
24. Arias M, Sauer-Lehnen S, Treptau J, Janoschek N, Theuerkauf I, Buettner R et
25. Yata Y, Gotwals P, Koteiansky V, Rockey D. Dose-dependent inhibition of hepatic fibrosis in mice by a TGF-/3 soluble receptor: Implications for antifibrotic therapy. *Hepatology* 2002; 35: 1022-1030.
26. George J, Roulot D, Koteliansky V, Vissell D.
27. Isaka Y, Akagi Y, Ando Y, Tsujie M, Sudo T, Ohno N
28. Huang X, Lee C. From TGF-/3 to cancer therapy. *Curr Drug Targets* 2003; 4: 243-250.
29. Siegel P, Massague J. Cytostatic and apoptotic actions of TGF-/3 in homeostasis and cancer. *Nature Rev Cancer* 2003; 3: 807-817.
30. Ignotz R, Honeyman T. TGF-/3 signaling in A549 lung carcinoma cells: Lipid second messengers. *J Cell Biochem* 2000; 78: 588-594.

31. Duda D, Sunamura M, Lefler L, Furukawa T, Yokoyama T, Yatsuoka T et
32. Moira K. Genetic factors in idiopathic pulmonary fibrosis: Transforming growth factor-B implicated at last. *Am J Respir Crit Care Med* 2003;168:410-411.
33. Warshamana GDP, Fisher K, Liu J, Sime P, Brody A. Titration of non-replicating adenovirus as a vector for transducing active TGF- β 1 gene expression causing inflammation and fibrigenesis in the lungs of C57BL/6 mice. *Inc J Exp Pathol* 2002;83:183-201.
34. Kenyon N, Ward R, McGrew G, Last J. TGF- β 1 causes airway fibrosis and increased collagen I and III mRNA in mice. *Thorax* 2003;58:772-777.
35. Nakao A, Fujii M, Matsumura R, Kumano K, Saito Y, Mlyazono K et
36. Rabbani Z, Anscher M, Zhang X, Chen L, Samulski T, Li C et al. Soluble TGF- β type II receptor gene therapy ameliorates acute radiation-induced pulmonary injury in rats. *Int J Radiat Oncol Biol Phys* 2003;57:563-572.
37. Chen S, Jim B, Ziyadeh F. Diabetic nephropathy and transforming growth factor B: Transforming our view of glomerulosclerosis and fibrosis build-up. *Sem Nephrol* 2003;23:532-543.
38. Daniel C, Takabatake Y, Mizui M, Isaka Y, Kawashi H, Rupprecht H et 2003;163: 11 85-1 192.
39. Sato M, Muragaki Y, Saika S, Roberts A, Ooshima A. Targeted disruption of TGF-beta 1 /Smad3 signaling protects against renal tubulointerstitial fibrosis induced by unilateral ureteral obstruction. *J Clin Invest* 2003;112:1486-1494.
40. Mallat Z, Gojova A, Marchiol-Fournigault C, Esposito B, Kamaté C, Merval R et
41. Robertson A, Rudling M, Zhu X, Gorelik L, Flavell R, Hansson G. Disruption of TGF- β 3 signaling in T cells accelerates atherosclerosis. *J Clin Invest* 2003;112:1342-1350.
- in vivo. *J Hepatol* 2003;39:742-748. et al. Smad-7 prevents activation of hepatic stellate cells and liver fibrosis in rats. *Gastroenterology* 2003;125:178-191. al. Adenoviral expression of a transforming growth factor B 1 antisense mRNA is effective in preventing liver fibrosis in bile-duct ligated rats. *BMC Gastroenterology* 2003;3:1-12. In vivo inhibition of rat stellate cell activation by soluble transforming growth factor beta type II receptor: A potential new therapy for hepatic fibrosis. *Proc Natl Acad Sci USA* 1999;96:12719-12724. et al. Gene therapy by transforming growth factor-beta receptor-IgG Fc chimera suppressed extracellular matrix accumulation in experimental glomerulonephritis. *Kidney Int* 1999;55:465-475. al. Restoration of Smad4 by gene therapy reverses the invasive phenotype in pancreatic adenocarcinoma cells. *Oncogene* 2003;22:6857-6864. al. Transient gene transfer and expression of Smad 7 prevents bleomycin-induced lung fibrosis in mice. *J Clin Invest* 1999;104:5-11. al. Antisense oligonucleotides against thrombospondin-1 inhibit activation of TGF- β fibrotic renal disease in the rat in vivo. *Am J Pathol*. Inhibiton of transforming growth factor B signaling accelerates atherosclerosis and induces an unstable plaque phenotype in mice. *Circ Res* 2001;89:930-934.